

Gesamtbericht

74. Durchgang des Rundversuches **Tumormarker**

Wien, am 09.03.2020

Sehr geehrte Frau Kollegin, sehr geehrter Herr Kollege,

bei dem 74. Durchgang des Rundversuches Tumormarker wurde die Probenverteilung am 04.02.2020 gestartet. Die Rücksendefrist endete am 16.02.2020. Die statistische Berechnung erfolgte am 09.03.2020. Es gab folgende Probenoptionen:

Probenoption	Bezeichnung	Hersteller
A	TM 267 35	RfB
B	TM 267 39	RfB

Erläuterungen zu den Tabellenspalten

Probe gibt die Probe an, mit der die Analyse durchgeführt worden ist
AnzE Anzahl der eingegangenen Ergebnisse

Metrische Analyte

Kollektiv gibt an, zu welchem Kollektiv die Auswertung gehört
*** Kollektiv für statistische Auswertung zu klein (Teilnehmerergebnisse innerhalb der Akzeptanzgrenzen weniger als 5)
Zielwert zugewiesener Wert des Rundversuches
zusätzlich zum Zielwert wird das Ermittlungsverfahren angegeben:
[a] Referenzwert
[b] Konsenswert der Teilnehmer
%-Abw Akzeptanzgrenzen in % (Abweichung)
AGrenzen Akzeptanzgrenzen als Intervall
Korrekt Anzahl und % - Angabe jener Teilnehmer, wo das Messergebnis innerhalb der Akzeptanzgrenzen liegt
Außerhalb Anzahl und % - Angabe jener Teilnehmer, wo das Messergebnis außerhalb der Akzeptanzgrenzen liegt
MW Mittelwert berechnet nach der Methode Q/Hampel
Median Median
SD Standardabweichung
VK % Variationskoeffizient in %

Nominale Analyte

Angabe gibt an, welche Antworten abgegeben wurden
Bewertung Bewertung der Angabe mit korrekt oder falsch
zusätzlich zur Bewertung wird das Ermittlungsverfahren angegeben:
[a] Referenzwert
[b] Konsenswert der Teilnehmer
Anteil Anzahl und % der Teilnehmer, die die entsprechende Angabe gemacht haben

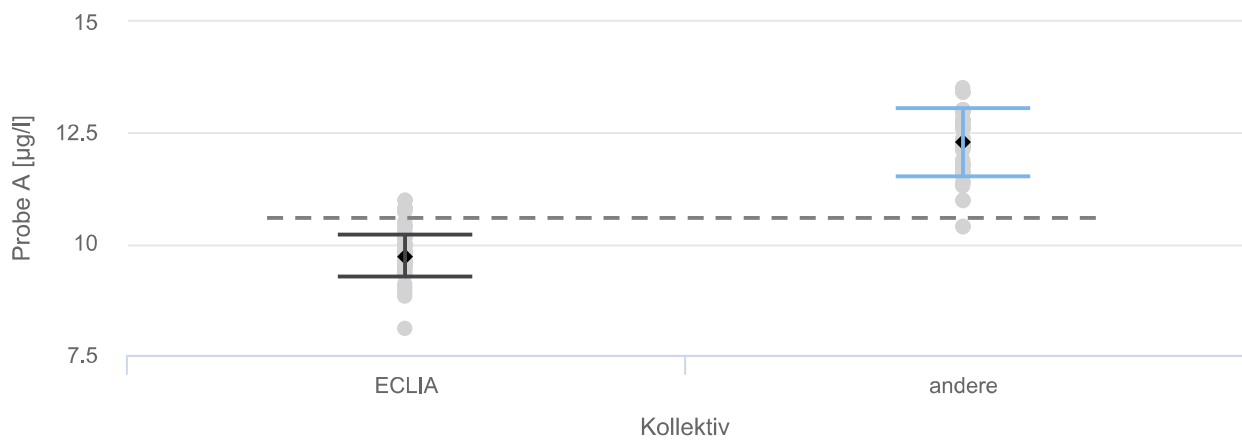
Es wurden folgende Ergebnisse erzielt:

CEA µg/l

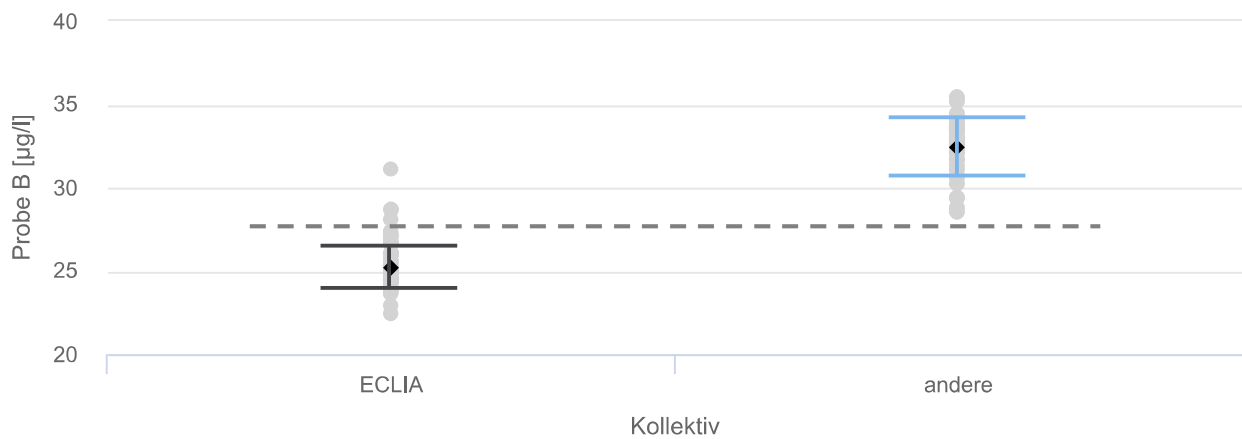
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	85	10.6 [b]	15	[9.0...12.2]	65 (76%)	20 (24%)	10.6	10.1	1.1	10.09
	B	85	27.7 [b]	15	[23.5...31.8]	61 (72%)	24 (28%)	27.7	26.6	2.8	10.09
ECLIA	A	52	9.7 [b]	15	[8.2...11.2]	51 (98%)	1 (2%)	9.7	9.7	0.5	4.93
	B	52	25.2 [b]	15	[21.4...28.9]	51 (98%)	1 (2%)	25.2	25.0	1.3	5.17
andere	A	33	12.3 [b]	15	[10.4...14.1]	33 (100%)	0 (0%)	12.3	12.3	0.8	6.20
	B	33	32.4 [b]	15	[27.6...37.3]	33 (100%)	0 (0%)	32.4	32.7	1.7	5.36

S-Kurven aller Proben

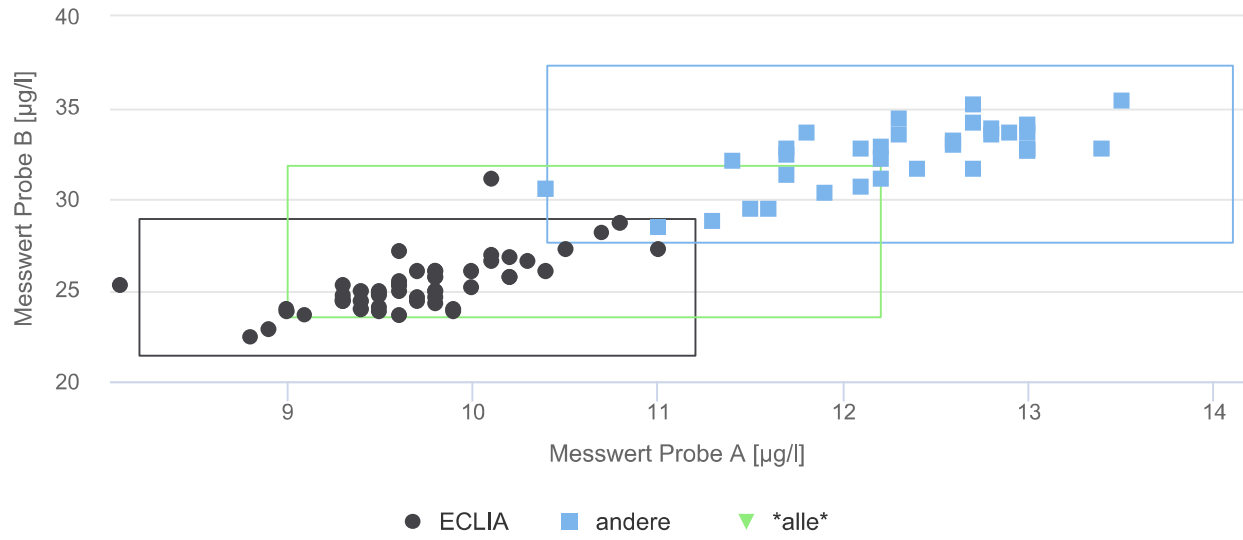


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare

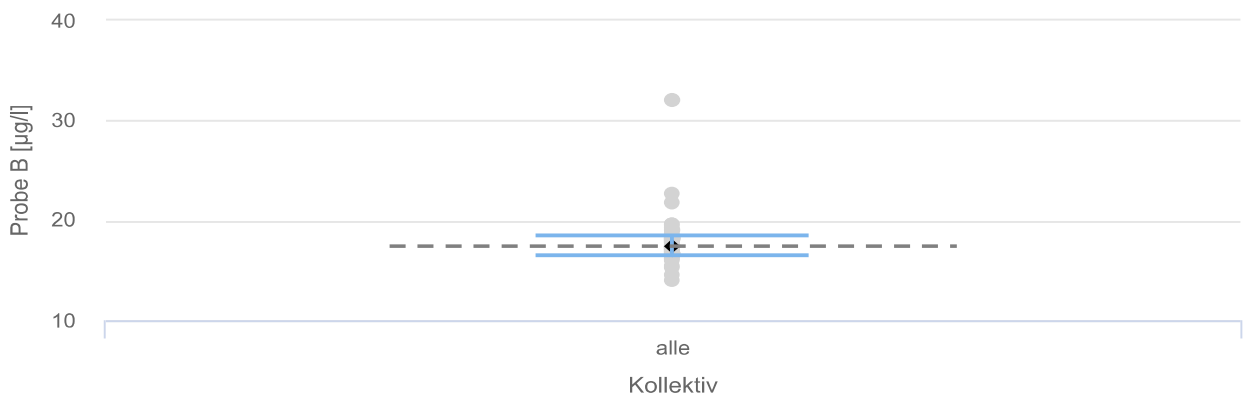
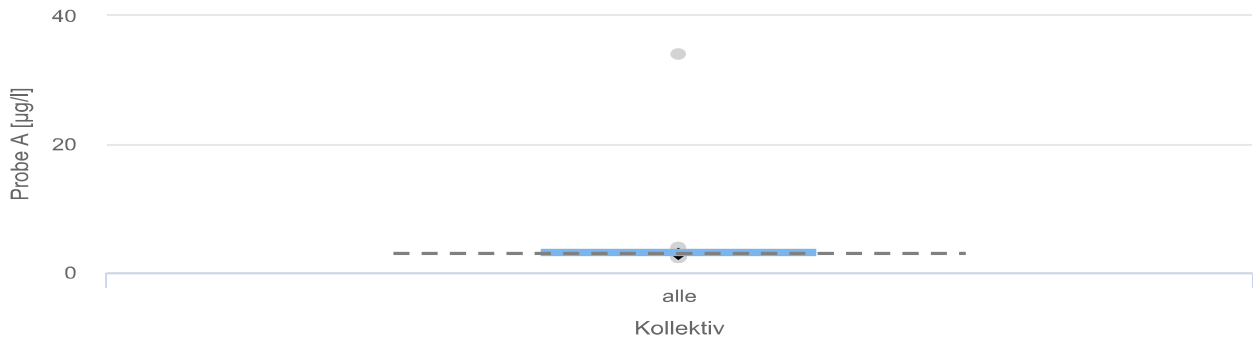


AFP µg/l

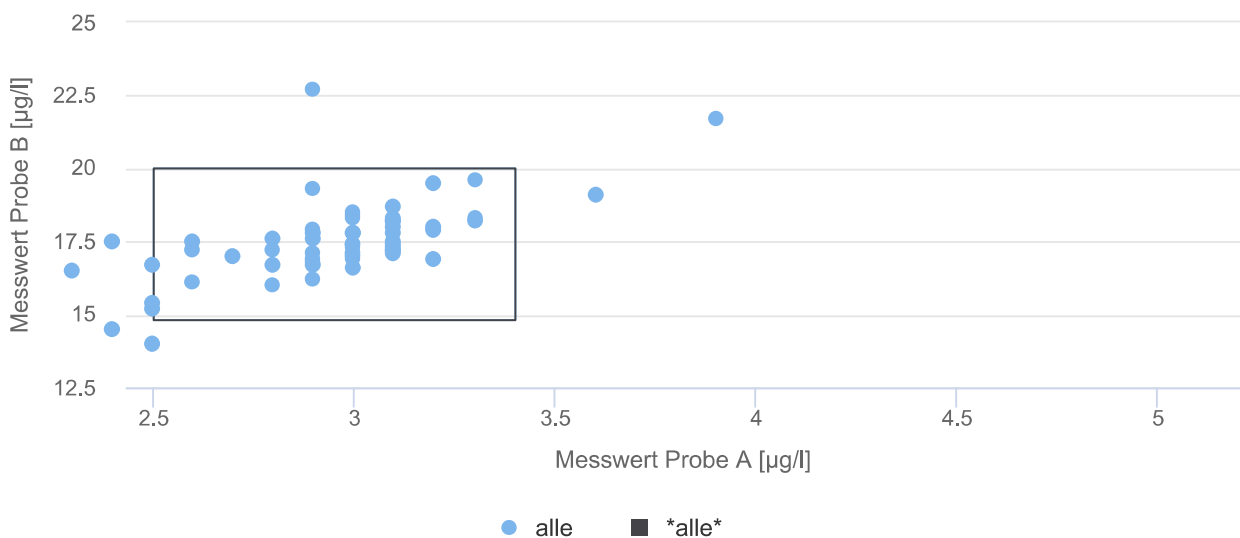
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	63	3.0 [b]	15	[2.5...3.4]	57 (90%)	6 (10%)	3.0	3.0	0.2	8.04
	B	63	17.4 [b]	15	[14.8...20.0]	58 (92%)	5 (8%)	17.4	17.4	1.0	5.68

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

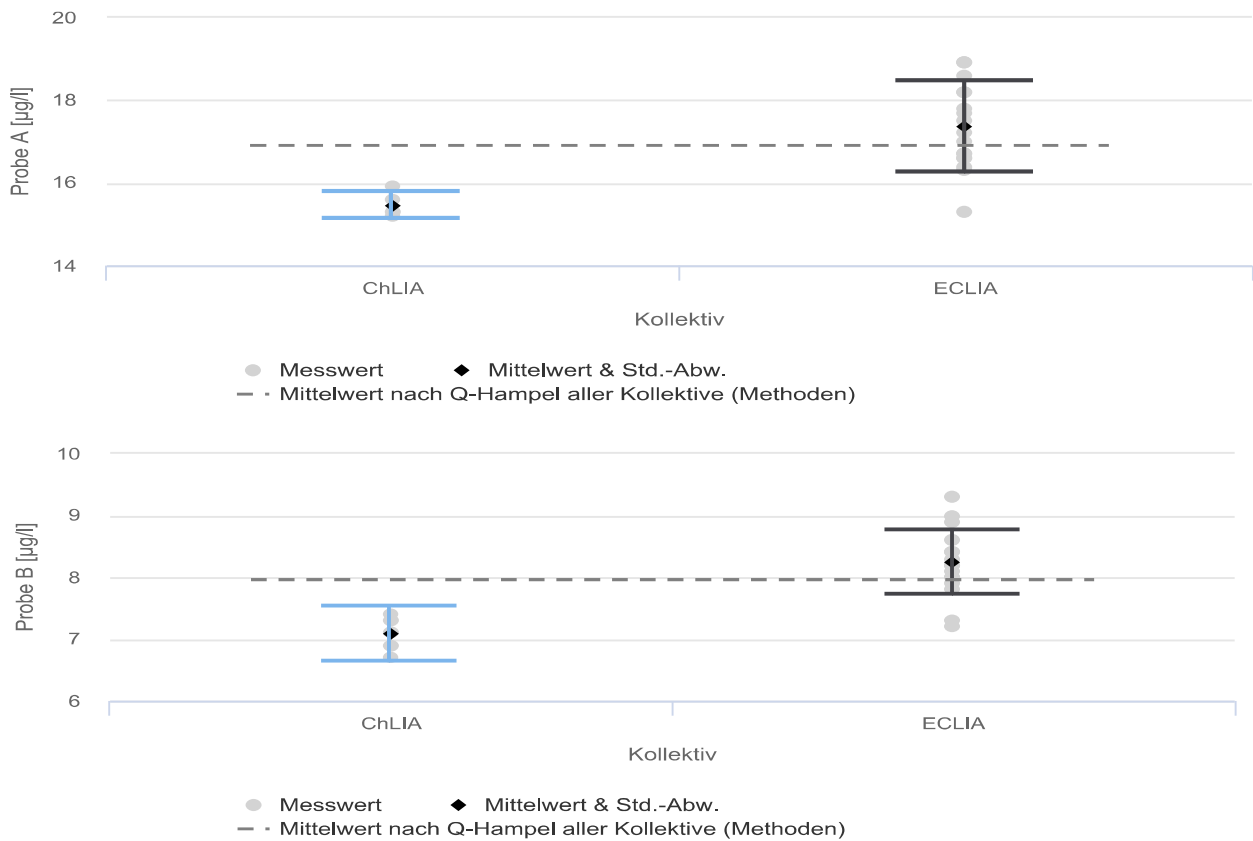


CYFRA (21-1) µg/l

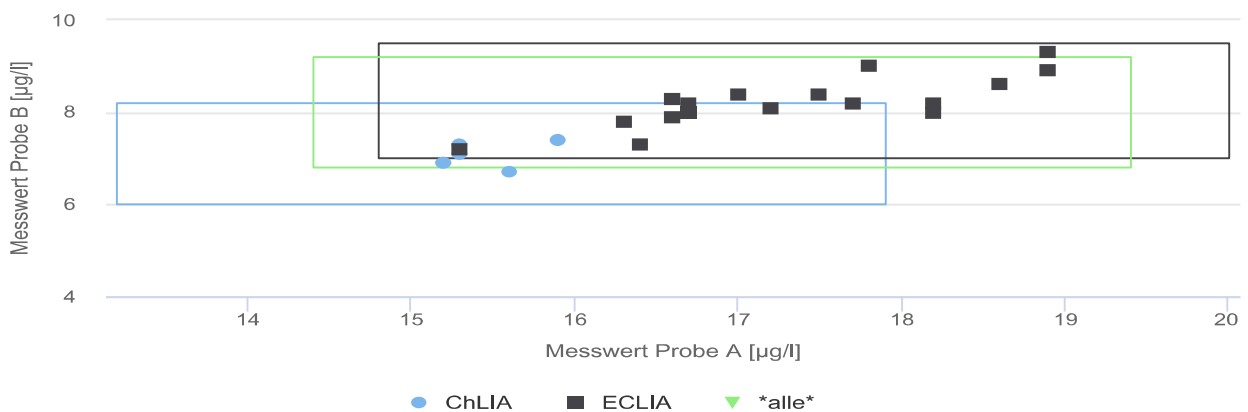
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	22	16.9 [b]	15	[14.4...19.4]	22 (100%)	0 (0%)	16.9	16.7	1.4	8.27
	B	22	8.0 [b]	15	[6.8...9.2]	20 (91%)	2 (9%)	8.0	8.1	0.7	9.07
ChLIA	A	5	15.5 [b]	15	[13.2...17.9]	5 (100%)	0 (0%)	15.5	15.3	0.3	2.18
	B	5	7.1 [b]	15	[6.0...8.2]	5 (100%)	0 (0%)	7.1	7.1	0.4	6.27
ECLIA	A	17	17.4 [b]	15	[14.8...20.0]	17 (100%)	0 (0%)	17.4	17.2	1.1	6.33
	B	17	8.2 [b]	15	[7.0...9.5]	17 (100%)	0 (0%)	8.2	8.2	0.5	6.30

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

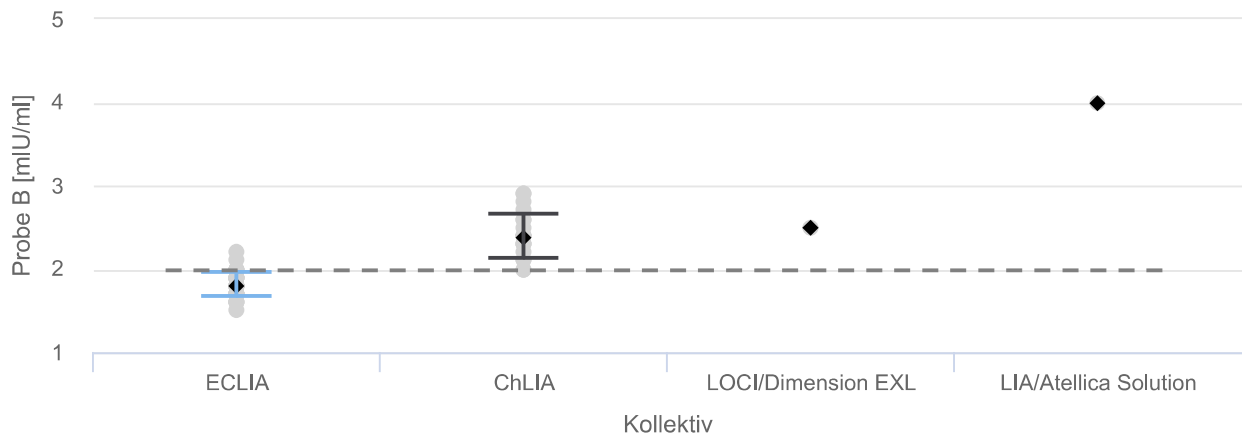
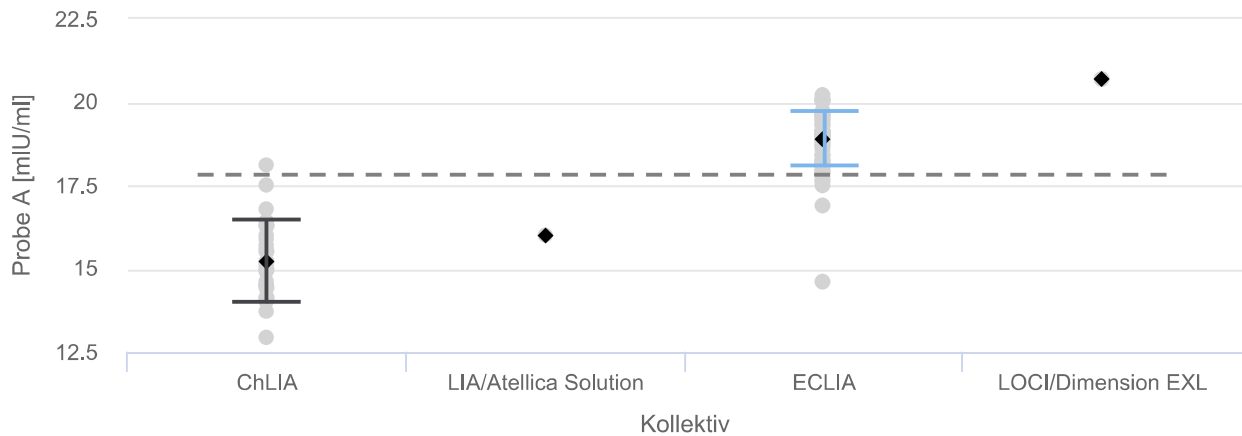


hCG β mIU/ml

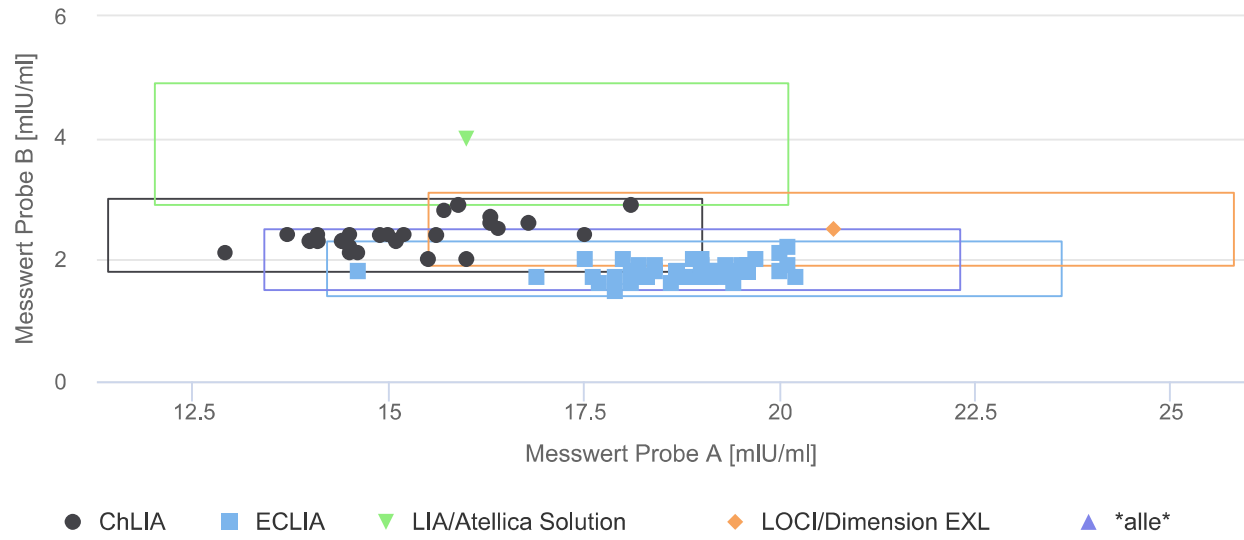
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	77	17.8 [b]	25	[13.4...22.3]	76 (99%)	1 (1%)	17.8	18.2	1.6	9.09
	B	77	2.0 [b]	25	[1.5...2.5]	70 (91%)	7 (9%)	2.0	1.9	0.3	14.93
ChLIA	A	25	15.2 [b]	25	[11.4...19.0]	25 (100%)	0 (0%)	15.2	15.1	1.2	8.19
	B	25	2.4 [b]	25	[1.8...3.0]	25 (100%)	0 (0%)	2.4	2.4	0.3	10.81
ECLIA	A	50	18.9 [b]	25	[14.2...23.6]	50 (100%)	0 (0%)	18.9	19.0	0.8	4.35
	B	50	1.8 [b]	25	[1.4...2.3]	50 (100%)	0 (0%)	1.8	1.8	0.1	8.00
LIA/Atellica Solution	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LOCI/Dimension EXL	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

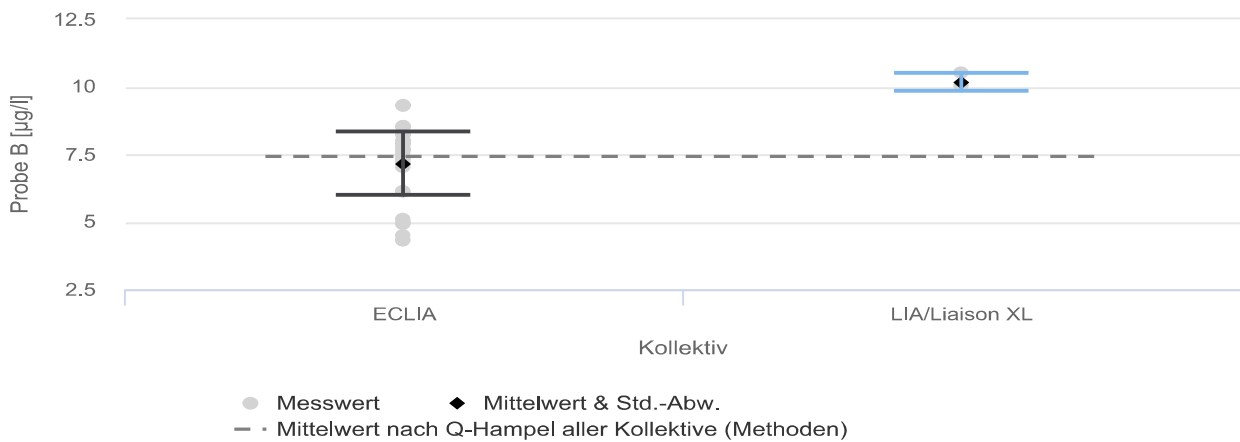
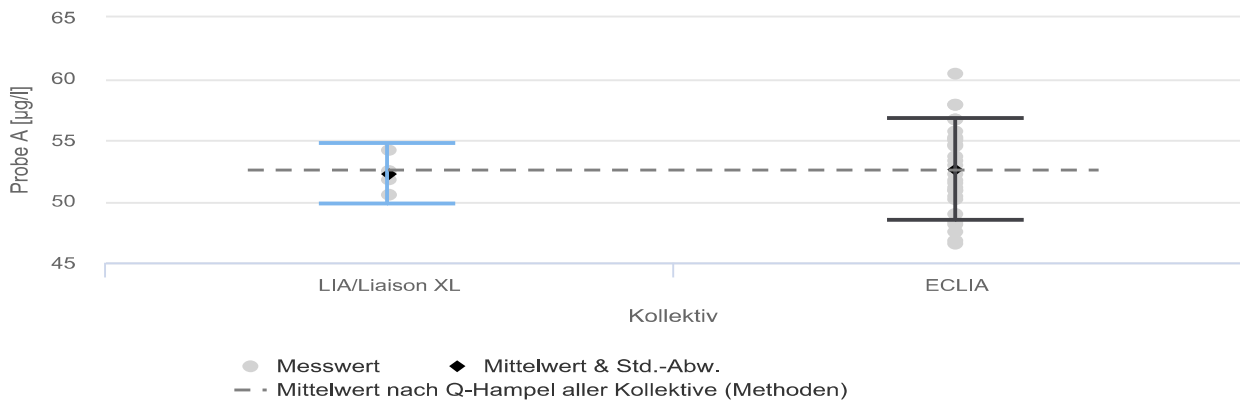


NSE µg/l

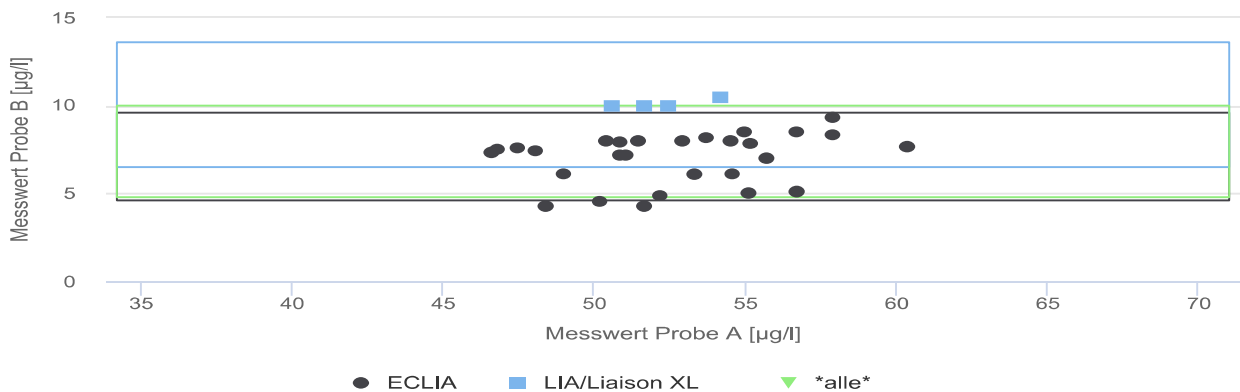
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	32	52.6 [b]	35	[34.2...71.0]	32 (100%)	0 (0%)	52.6	52.4	3.7	7.11
	B	32	7.4 [b]	35	[4.8...10.0]	28 (88%)	4 (12%)	7.4	7.7	1.5	20.17
ECLIA	A	28	52.6 [b]	35	[34.2...71.0]	28 (100%)	0 (0%)	52.6	52.5	4.2	7.93
	B	28	7.1 [b]	35	[4.6...9.6]	25 (89%)	3 (11%)	7.1	7.5	1.2	16.35
LIA/Liaison XL	A	4	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	4	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

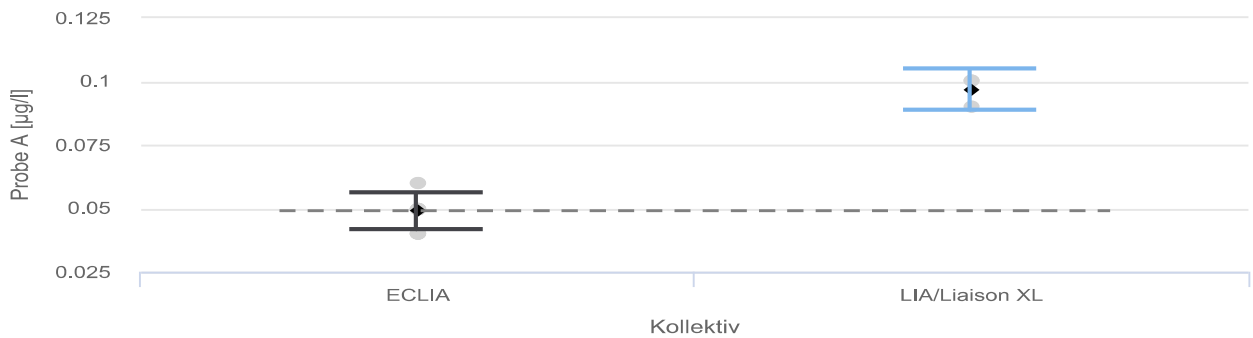


S - 100 µg/l

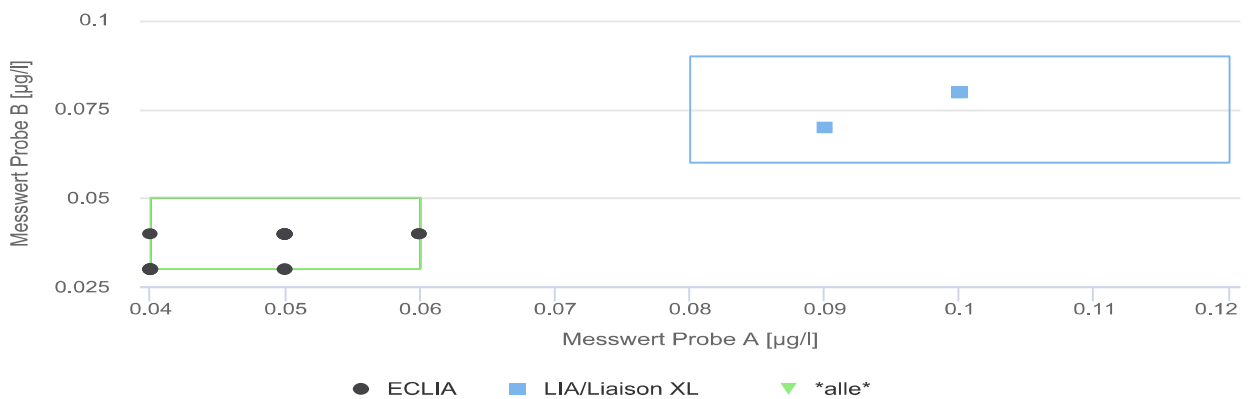
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	21	0.05 [b]	20	[0.04...0.06]	18 (86%)	3 (14%)	0.05	0.05	0.01	20.11
	B	21	0.04 [b]	20	[0.03...0.05]	18 (86%)	3 (14%)	0.04	0.04	0.01	21.88
ECLIA	A	18	0.05 [b]	20	[0.04...0.06]	18 (100%)	0 (0%)	0.05	0.05	0.01	14.44
	B	18	0.04 [b]	20	[0.03...0.05]	18 (100%)	0 (0%)	0.04	0.04	0.01	15.21
LIA/Liaison XL	A	3	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	3	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

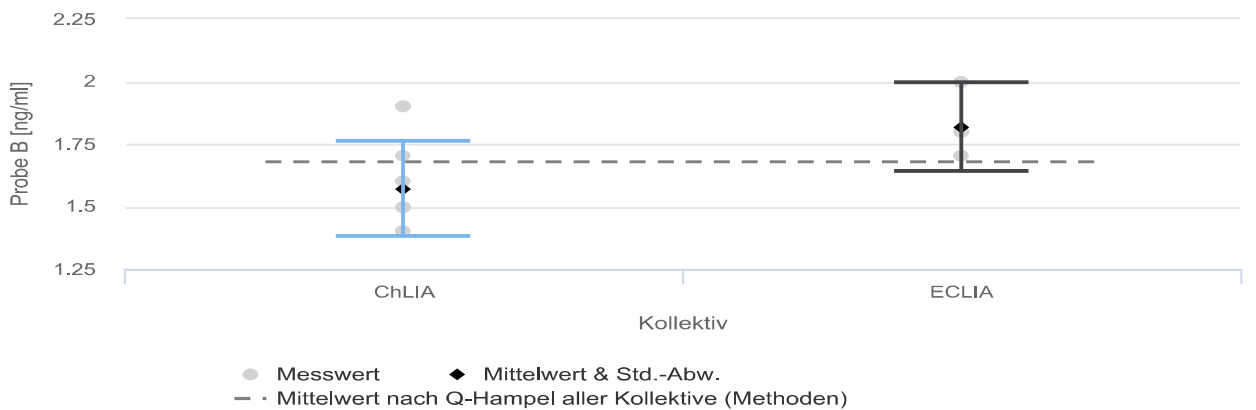
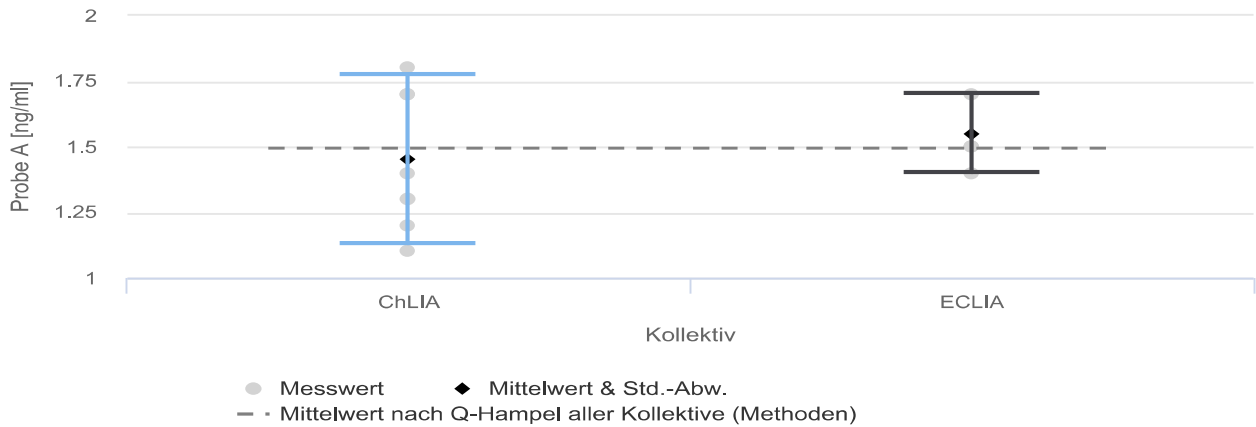


SCC ng/ml

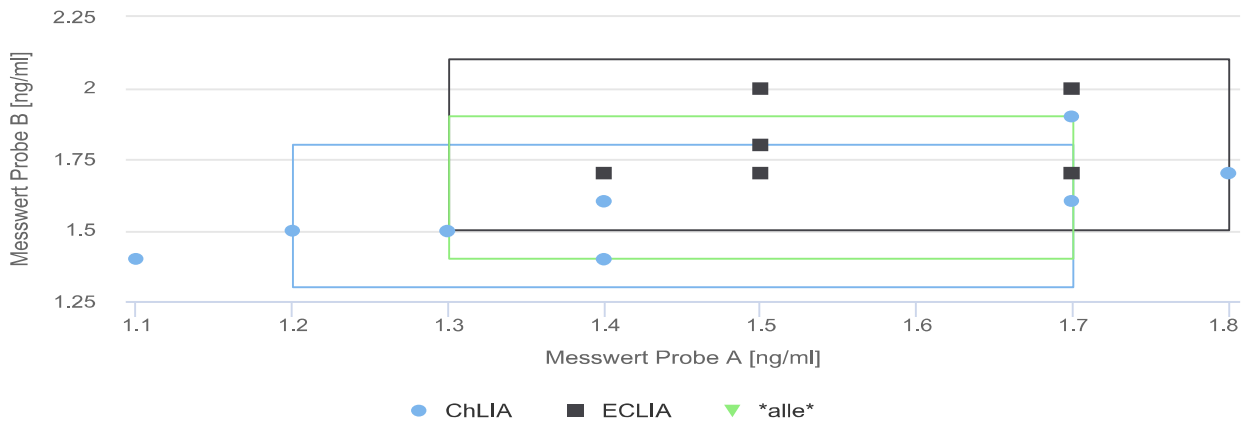
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	14	1.5 [b]	15	[1.3...1.7]	11 (79%)	3 (21%)	1.5	1.5	0.2	16.54
	B	14	1.7 [b]	15	[1.4...1.9]	12 (86%)	2 (14%)	1.7	1.7	0.2	13.80
ChLIA	A	8	1.5 [b]	15	[1.2...1.7]	6 (75%)	2 (25%)	1.4	1.4	0.3	22.22
	B	8	1.6 [b]	15	[1.3...1.8]	7 (88%)	1 (12%)	1.6	1.6	0.2	12.11
ECLIA	A	6	1.5 [b]	15	[1.3...1.8]	6 (100%)	0 (0%)	1.5	1.5	0.2	9.75
	B	6	1.8 [b]	15	[1.5...2.1]	6 (100%)	0 (0%)	1.8	1.8	0.2	9.77

S-Kurven aller Proben



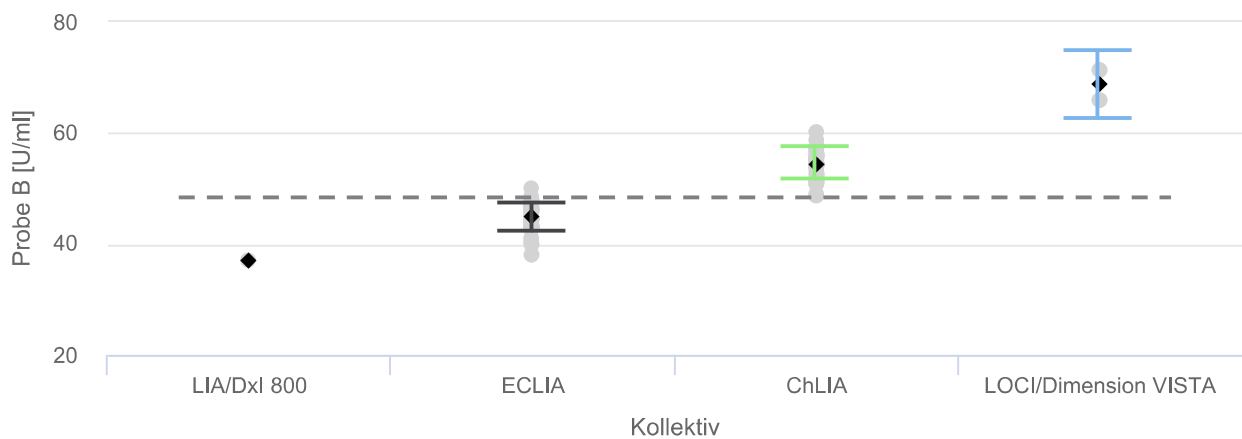
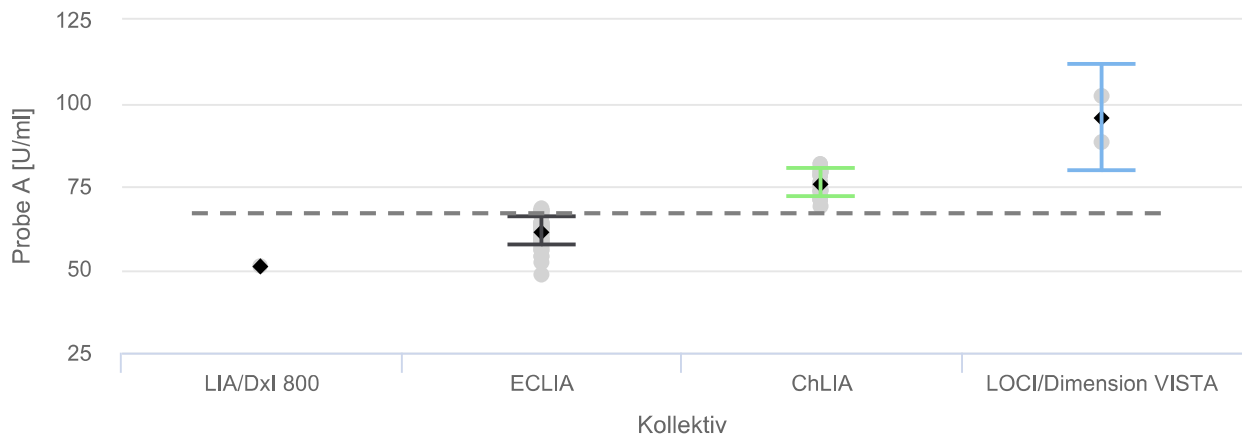
Youden-Plots aller Probenpaare



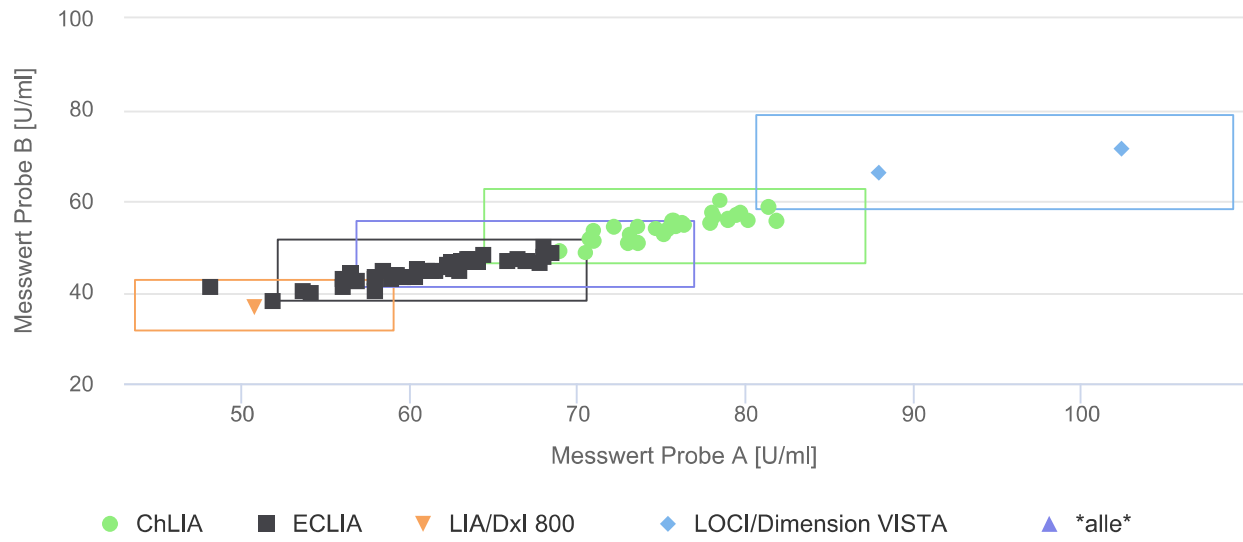
CA 125 U/ml

Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	78	66.9 [b]	15	[56.8...76.9]	57 (73%)	21 (27%)	66.9	65.1	8.9	13.30
	B	78	48.4 [b]	15	[41.1...55.6]	62 (79%)	16 (21%)	48.4	47.0	5.3	10.99
ChLIA	A	29	75.7 [b]	15	[64.4...87.1]	29 (100%)	0 (0%)	75.7	75.8	4.3	5.67
	B	29	54.4 [b]	15	[46.3...62.6]	29 (100%)	0 (0%)	54.4	54.6	2.8	5.21
ECLIA	A	46	61.3 [b]	15	[52.1...70.5]	44 (96%)	2 (4%)	61.3	61.4	4.3	7.05
	B	46	44.8 [b]	15	[38.1...51.5]	46 (100%)	0 (0%)	44.8	44.8	2.6	5.81
LIA/DxI 800	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LOCI/Dimension VISTA	A	2	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	2	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben


Youden-Plots aller Probenpaare

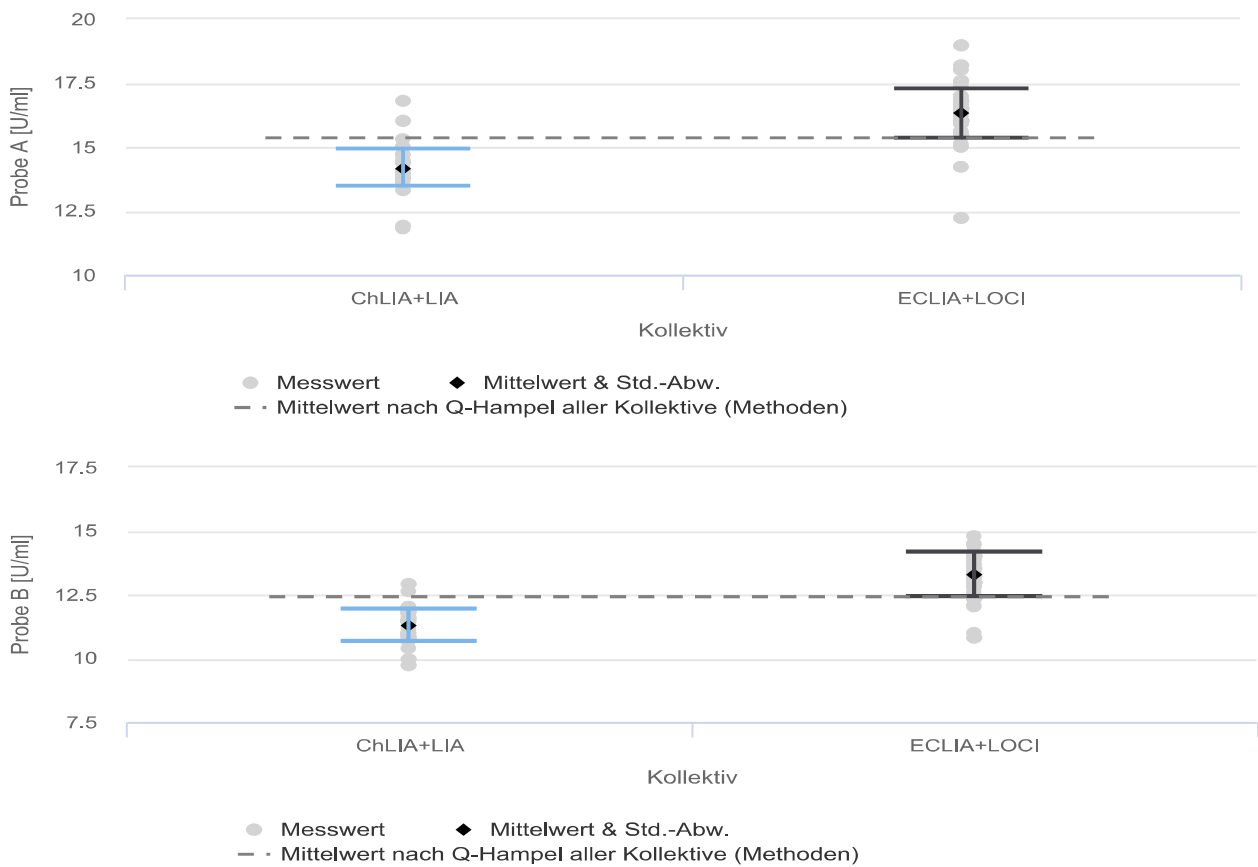


CA 15-3 U/ml

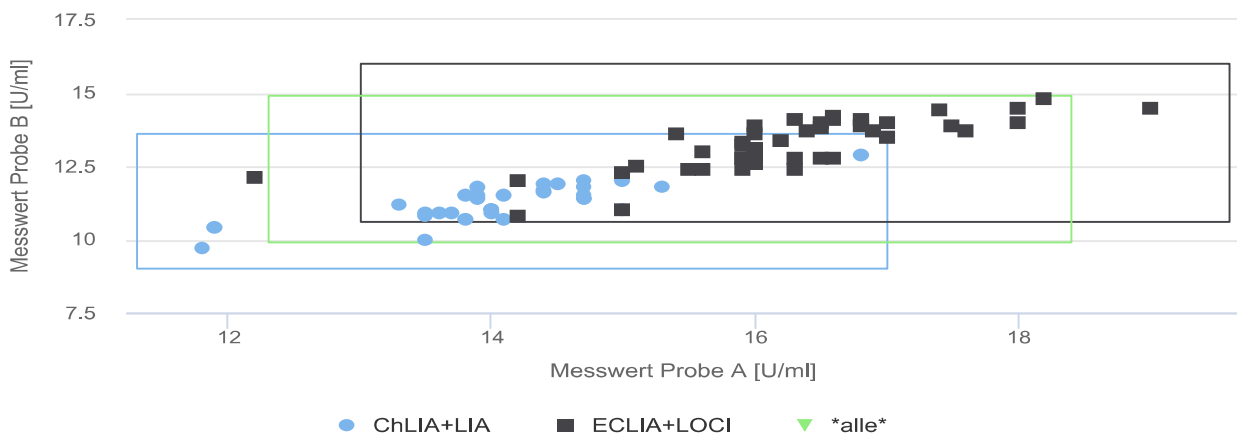
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	77	15.4 [b]	20	[12.3...18.4]	73 (95%)	4 (5%)	15.4	15.5	1.4	9.41
	B	77	12.4 [b]	20	[9.9...14.9]	76 (99%)	1 (1%)	12.4	12.4	1.3	10.74
ChLIA+LIA	A	33	14.2 [b]	20	[11.3...17.0]	33 (100%)	0 (0%)	14.2	14.0	0.7	5.24
	B	33	11.3 [b]	20	[9.0...13.6]	33 (100%)	0 (0%)	11.3	11.4	0.7	5.78
ECLIA+LOCI	A	44	16.3 [b]	20	[13.0...19.6]	43 (98%)	1 (2%)	16.3	16.2	1.0	5.83
	B	44	13.3 [b]	20	[10.6...16.0]	44 (100%)	0 (0%)	13.3	13.4	0.9	6.48

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

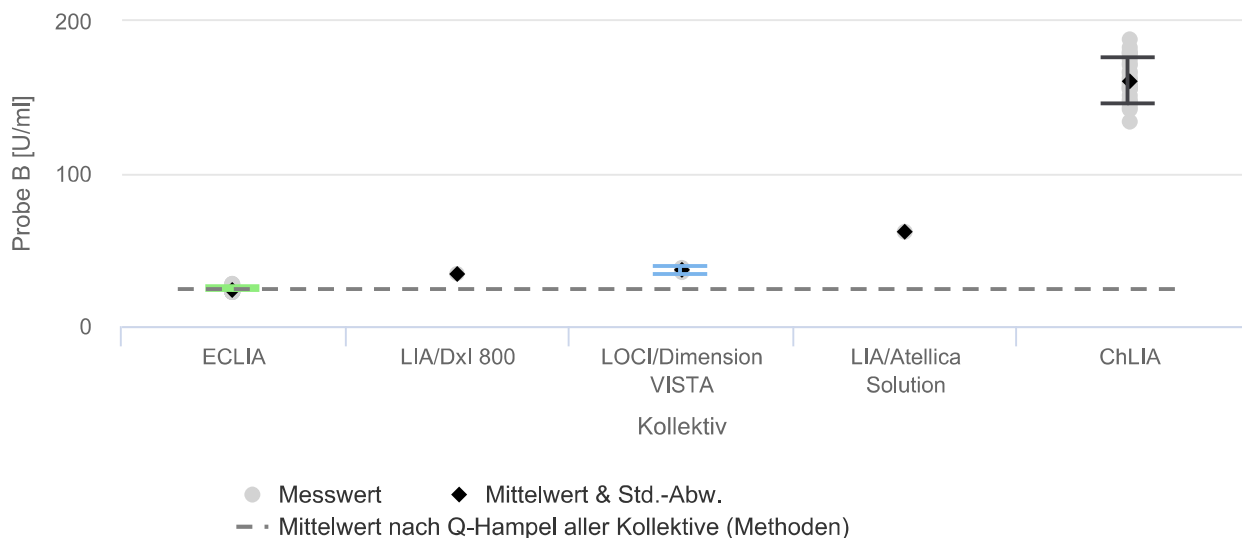
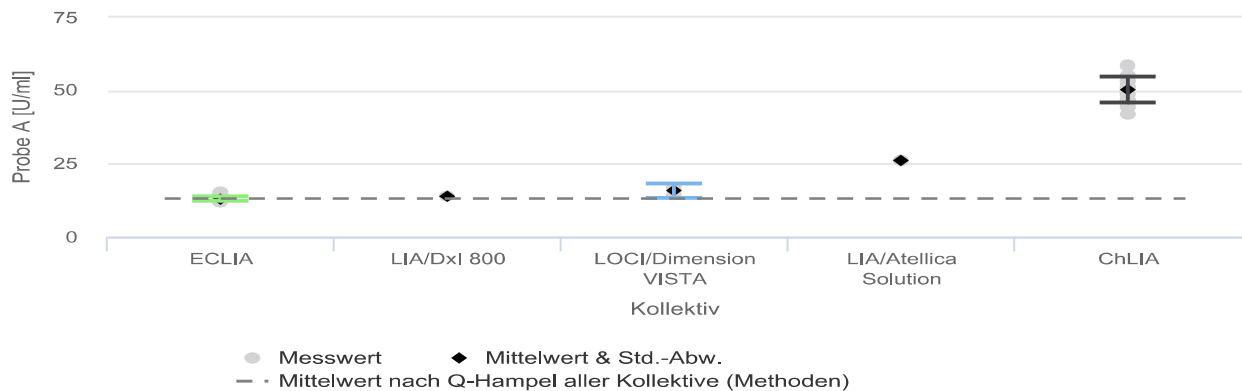


CA 19-9 U/ml

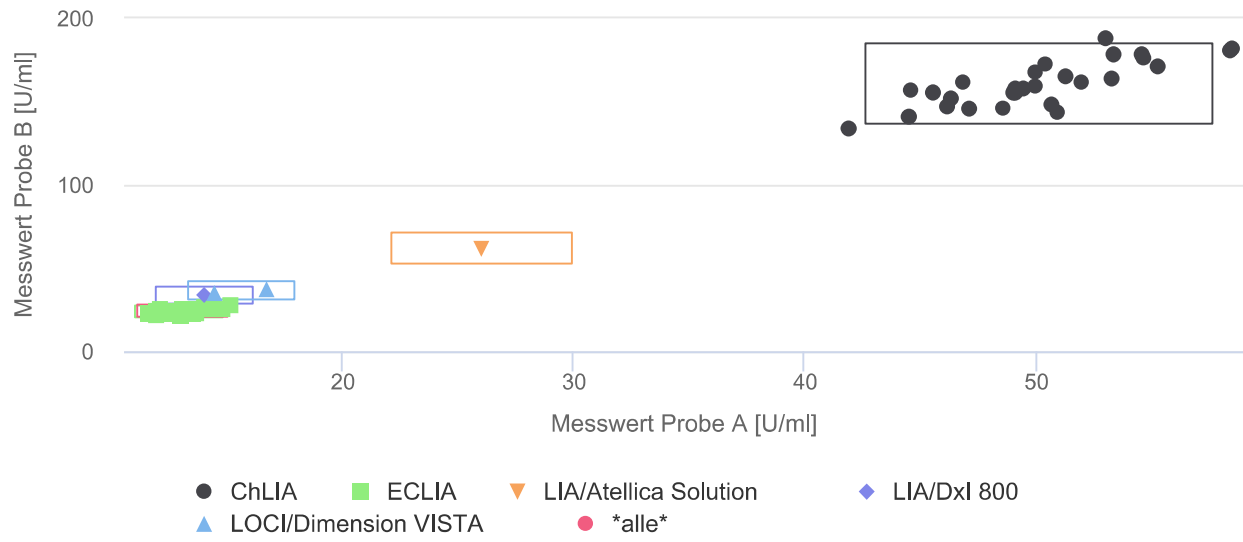
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	81	13.1 [b]	15	[11.1...15.0]	50 (62%)	31 (38%)	13.1	13.6	2.3	17.41
	B	81	24.3 [b]	15	[20.7...28.0]	48 (59%)	33 (41%)	24.3	24.8	3.8	15.66
ChLIA	A	28	50.1 [b]	15	[42.6...57.6]	25 (89%)	3 (11%)	50.1	50.0	4.5	8.89
	B	28	160.9 [b]	15	[136.7...185.0]	26 (93%)	2 (7%)	160.9	158.4	15.5	9.61
ECLIA	A	49	12.9 [b]	15	[11.0...14.8]	48 (98%)	1 (2%)	12.9	13.0	0.8	6.45
	B	49	23.9 [b]	15	[20.3...27.5]	47 (96%)	2 (4%)	23.9	23.9	1.3	5.25
LIA/Atellica Solution	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LIA/Dxi 800	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LOCI/Dimension VISTA	A	2	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	2	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben



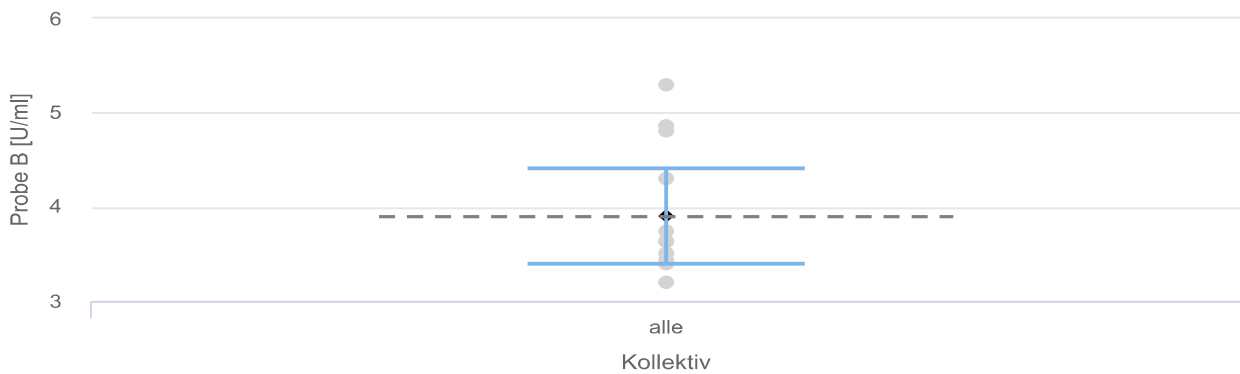
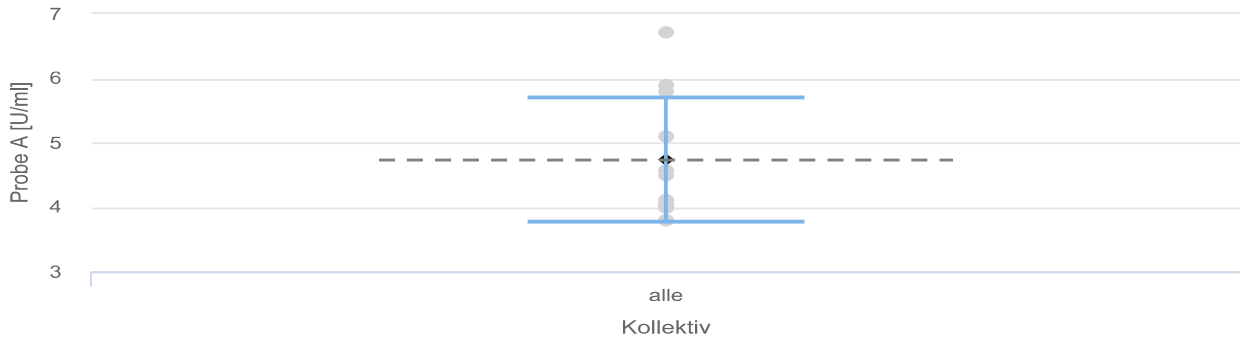
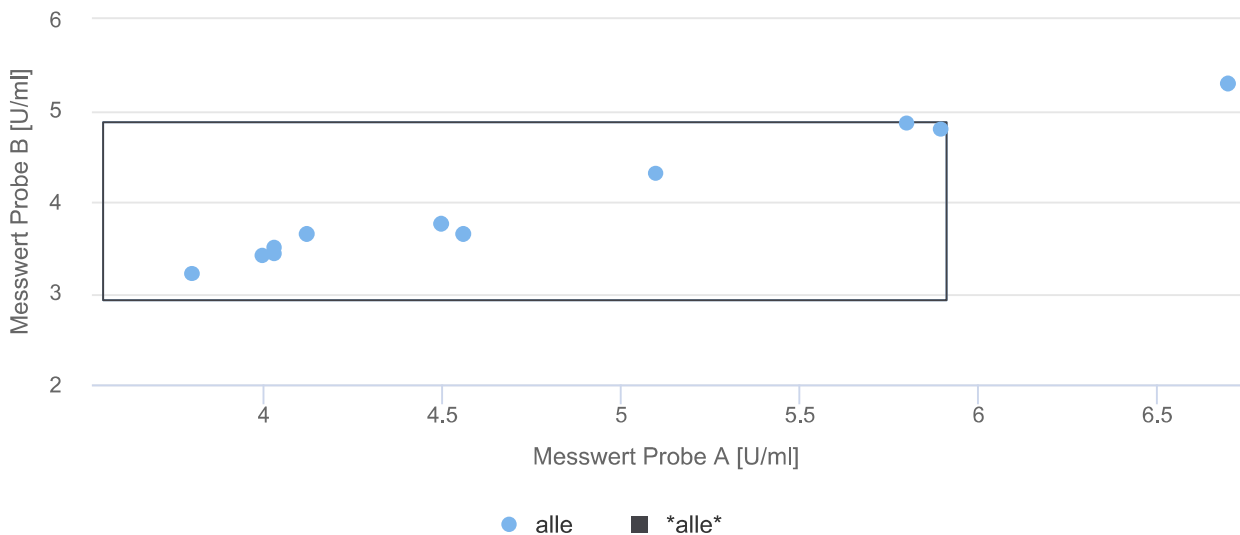
Youden-Plots aller Probenpaare



CA 72-4 U/ml

Split: Methode

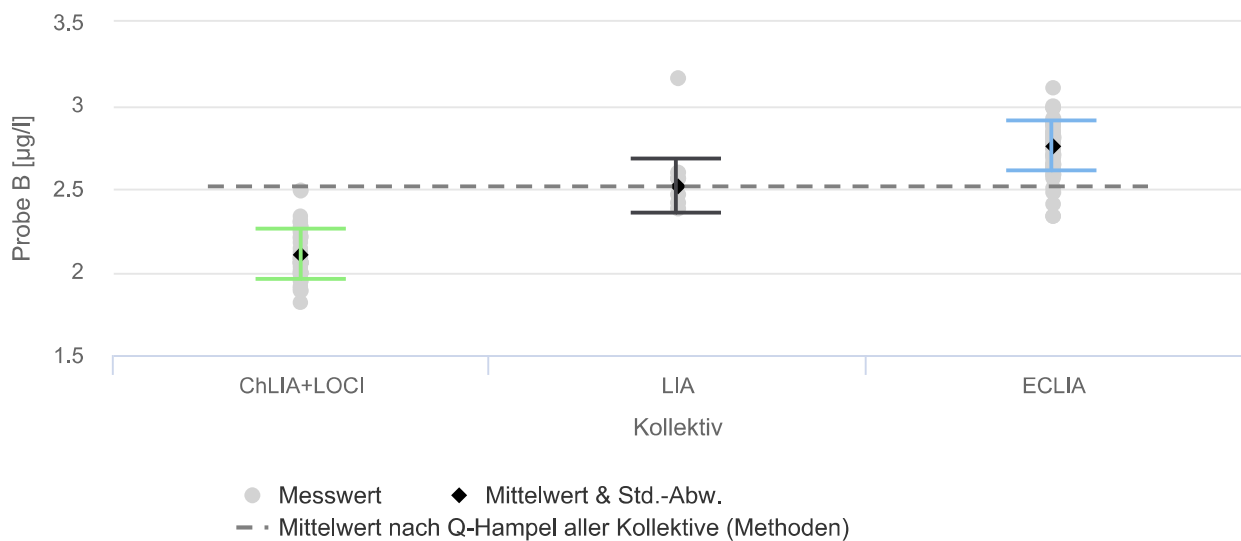
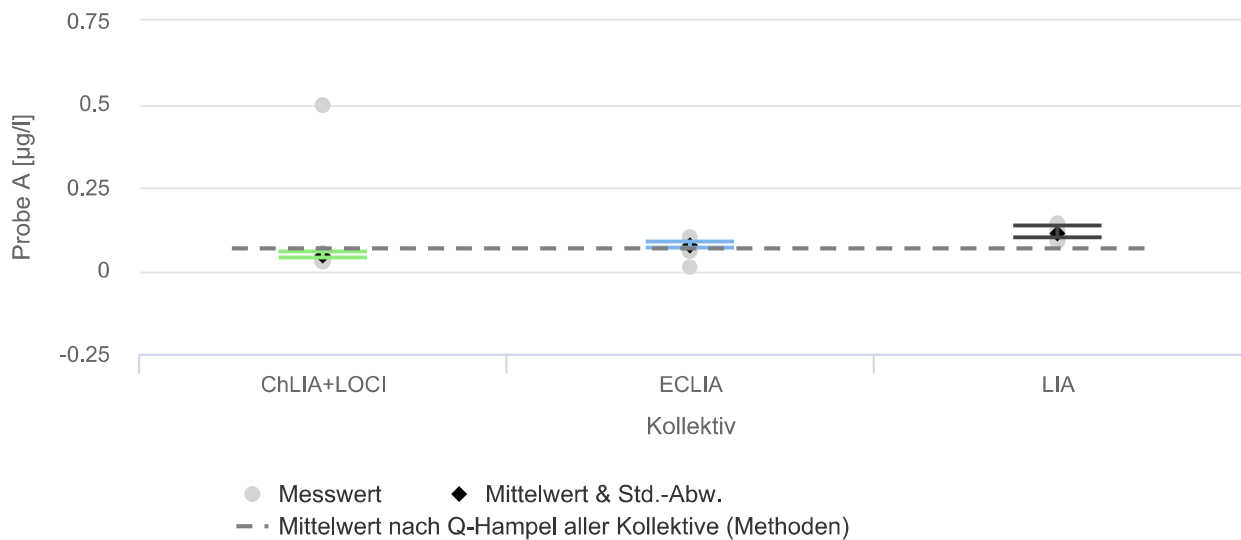
Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	11	4.73 [b]	25	[3.55...5.91]	10 (91%)	1 (9%)	4.73	4.50	0.97	20.43
	B	11	3.89 [b]	25	[2.92...4.87]	10 (91%)	1 (9%)	3.89	3.64	0.51	13.12

S-Kurven aller Proben

Youden-Plots aller Probenpaare


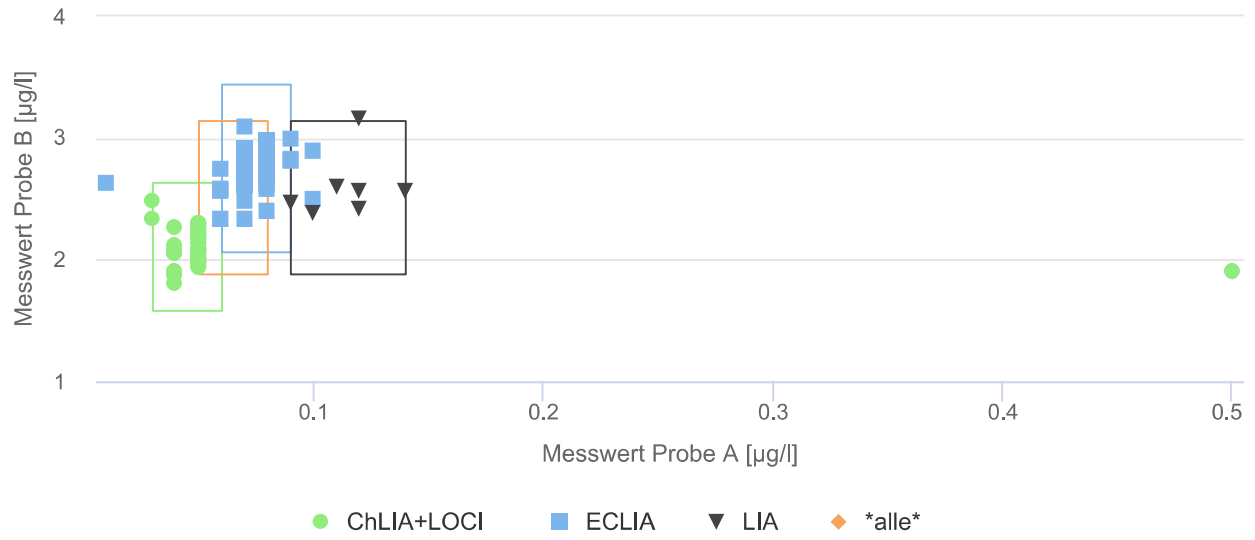
PSA µg/l

Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	94	0.07 [b]	25	[0.05...0.08]	67 (71%)	27 (29%)	0.07	0.07	0.02	32.77
	B	94	2.51 [b]	25	[1.88...3.14]	92 (98%)	2 (2%)	2.51	2.60	0.32	12.86
ChLIA+LOCI	A	33	0.05 [b]	25	[0.03...0.06]	32 (97%)	1 (3%)	0.05	0.05	0.01	17.27
	B	33	2.10 [b]	25	[1.58...2.63]	33 (100%)	0 (0%)	2.10	2.07	0.15	7.04
ECLIA	A	54	0.08 [b]	25	[0.06...0.09]	51 (94%)	3 (6%)	0.08	0.08	0.01	12.45
	B	54	2.75 [b]	25	[2.06...3.44]	54 (100%)	0 (0%)	2.75	2.77	0.15	5.51
LIA	A	7	0.11 [b]	25	[0.09...0.14]	7 (100%)	0 (0%)	0.11	0.12	0.02	17.79
	B	7	2.51 [b]	25	[1.88...3.14]	6 (86%)	1 (14%)	2.51	2.56	0.17	6.66

S-Kurven aller Proben


Youden-Plots aller Probenpaare

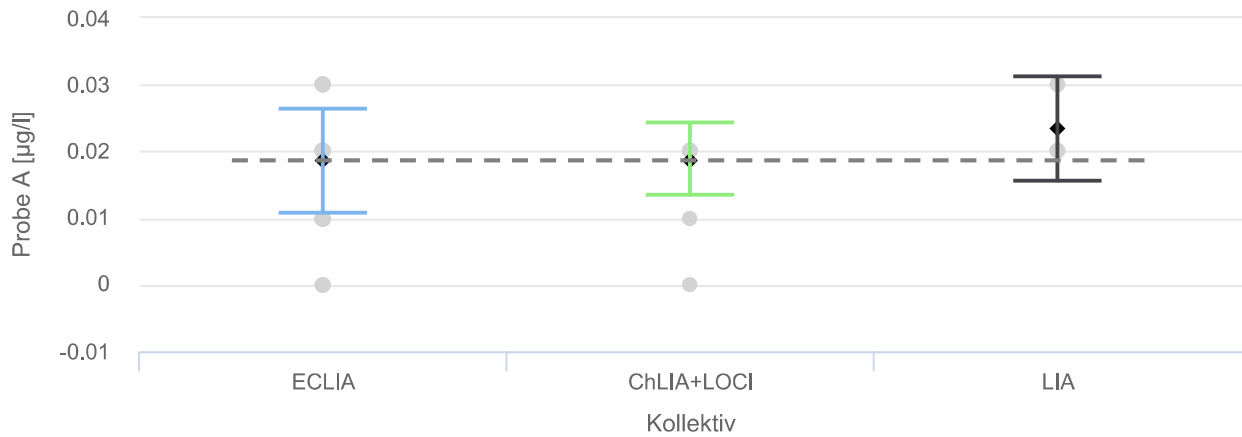


PSA frei µg/l

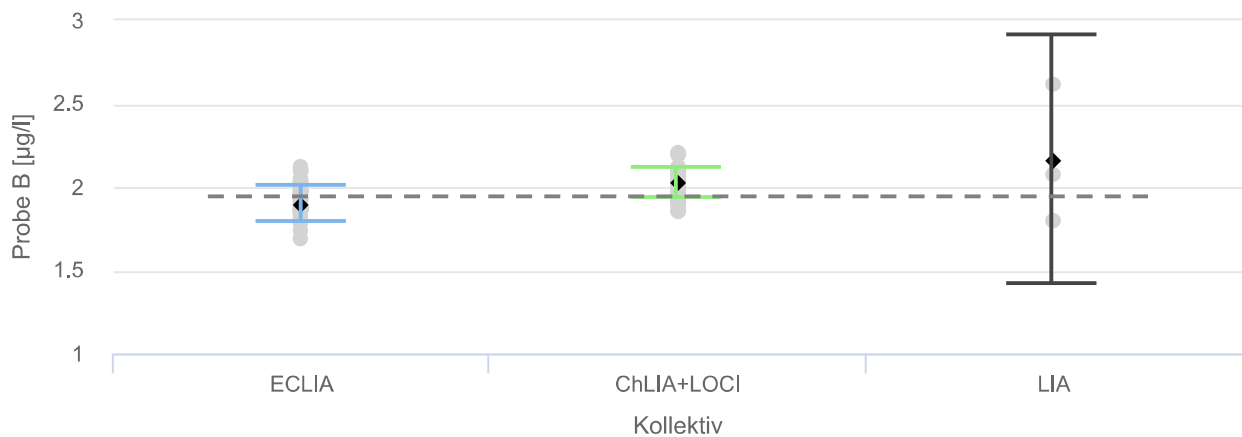
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	76	0.02 [b]	35	[0.01...0.03]	73 (96%)	3 (4%)	0.02	0.02	0.01	37.21
	B	76	1.94 [b]	35	[1.26...2.62]	76 (100%)	0 (0%)	1.94	1.95	0.12	6.40
ChLIA+LOCI	A	27	0.02 [b]	35	[0.01...0.03]	26 (96%)	1 (4%)	0.02	0.02	0.01	28.41
	B	27	2.03 [b]	35	[1.32...2.73]	27 (100%)	0 (0%)	2.03	2.04	0.09	4.53
ECLIA	A	46	0.02 [b]	35	[0.01...0.03]	44 (96%)	2 (4%)	0.02	0.02	0.01	42.36
	B	46	1.90 [b]	35	[1.23...2.56]	46 (100%)	0 (0%)	1.90	1.88	0.11	5.56
LIA	A	3	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	3	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben

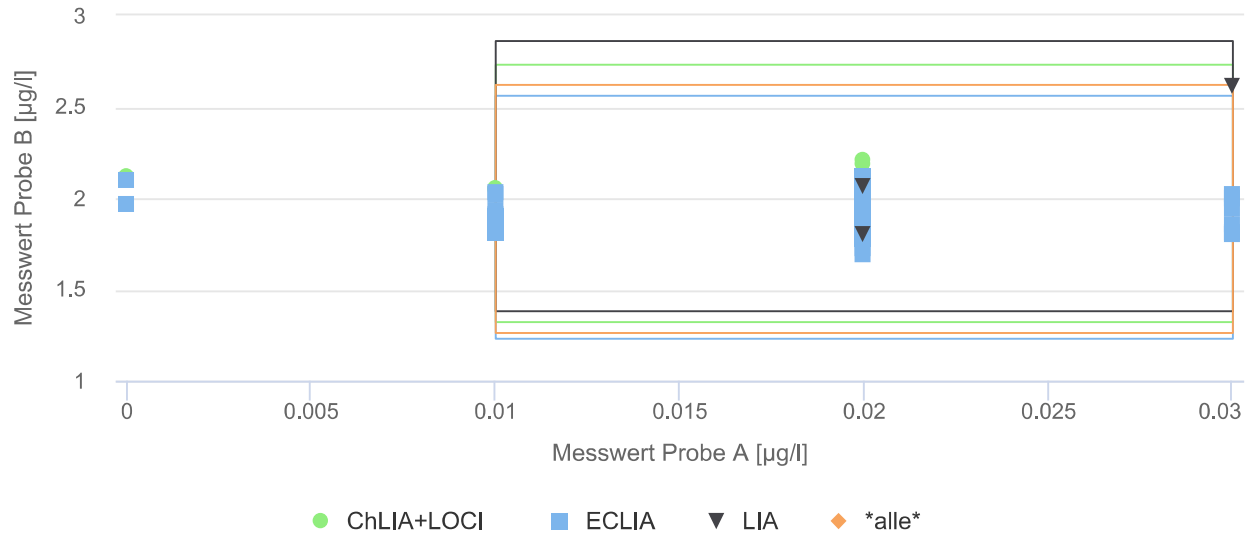


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare

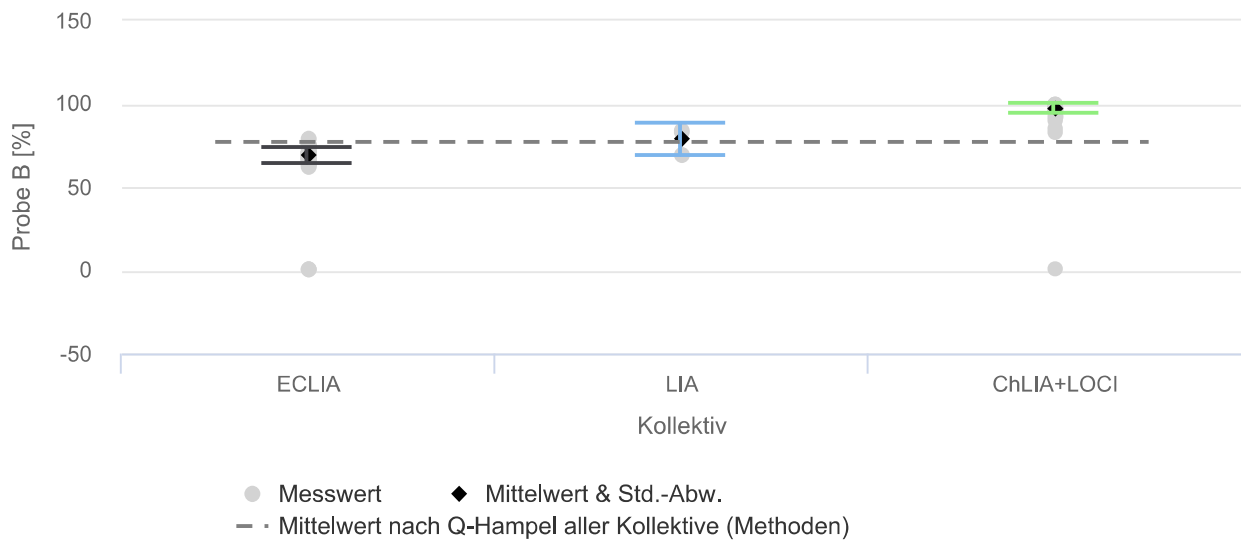


Quotient freies PSA/gesamt PSA %

Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	55	28 [b]	25	[21...35]	24 (44%)	31 (56%)	28	28	12	44.95
	B	55	77 [b]	25	[58...96]	40 (73%)	15 (27%)	77	71	9	12.16
ChLIA+LOCI	B	19	97 [b]	25	[73...99]	18 (95%)	1 (5%)	97	97	3	2.82
ECLIA	B	33	69 [b]	25	[52...86]	31 (94%)	2 (6%)	69	68	5	6.81
LIA	B	3	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben

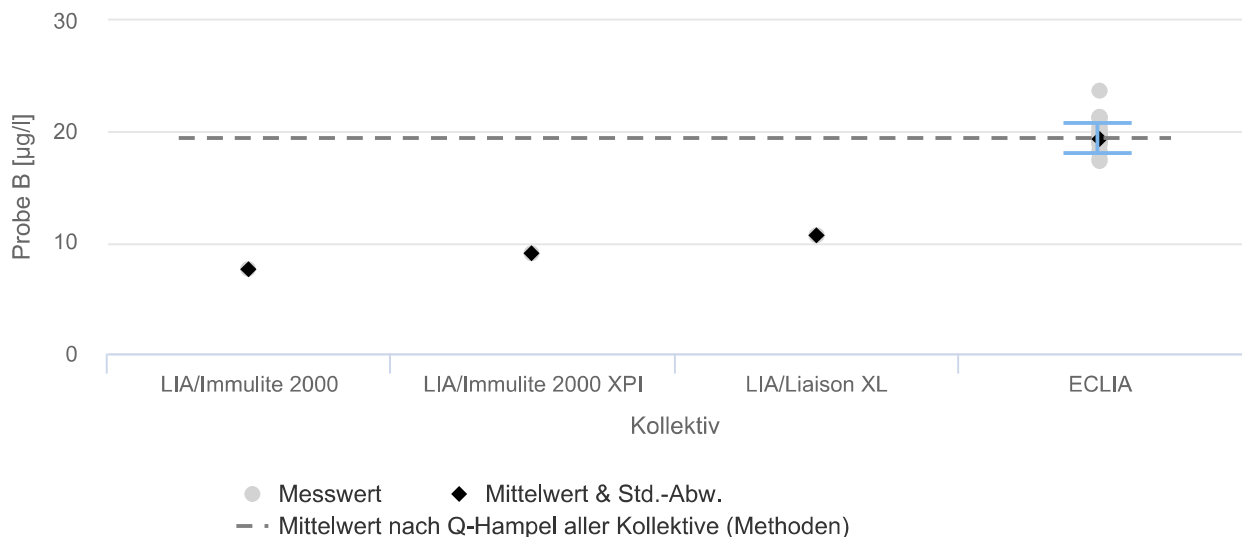
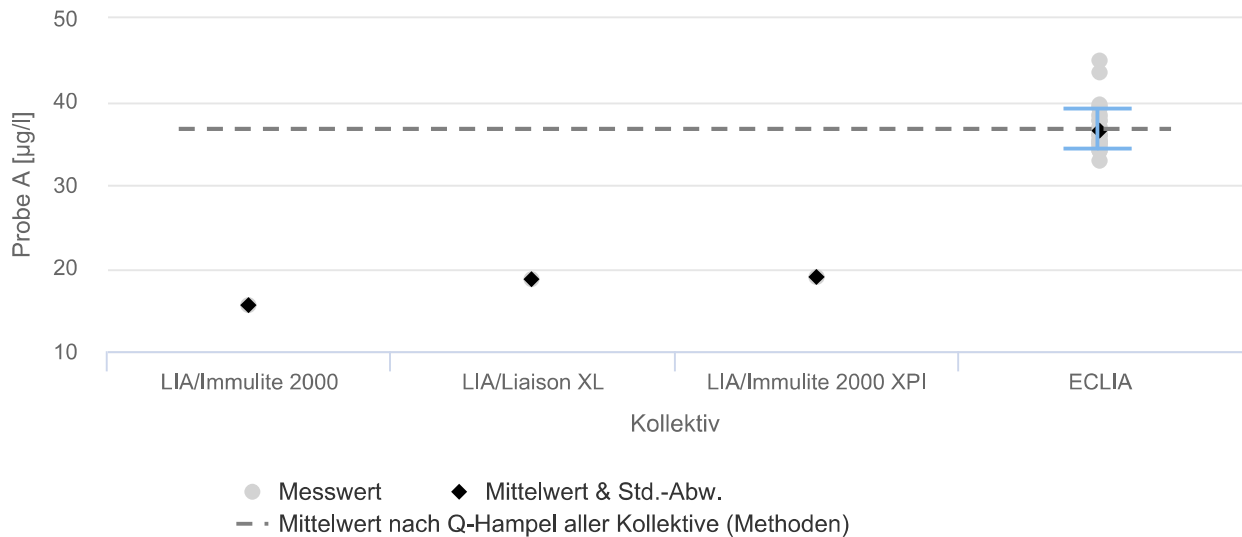


Thyreoglobulin µg/l

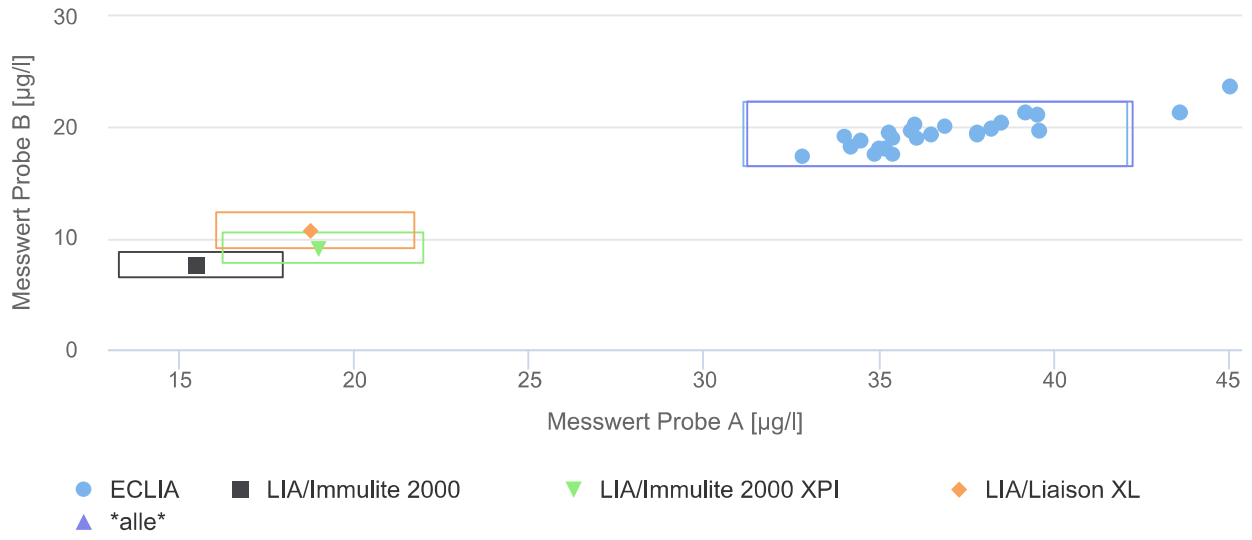
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	27	36.72 [b]	15	[31.21...42.22]	22 (81%)	5 (19%)	36.72	35.90	3.04	8.28
	B	27	19.42 [b]	15	[16.50...22.33]	23 (85%)	4 (15%)	19.42	19.27	1.75	9.00
ECLIA	A	24	36.59 [b]	15	[31.10...42.07]	22 (92%)	2 (8%)	36.59	36.05	2.43	6.63
	B	24	19.39 [b]	15	[16.48...22.30]	23 (96%)	1 (4%)	19.39	19.45	1.38	7.13
LIA/Immulite 2000	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LIA/Immulite 2000 XPI	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
LIA/Liaison XL	A	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***
	B	1	***	***	***	***	***	***	***	***	***

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare



Analyte ohne Bewertung

Analyt	Probe
Quotient freies PSA/gesamt PSA %	A

Vergleichbarkeitsklassen (Kollektive)

CEA µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 LIA/Atellica Solution ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411
2	andere	Methode	LIA/Centaur XP LIA/Dxl 800 CMIA/Architect i2000 LOCI/Dimension VISTA CMIA/Architect i1000 CMIA/Alinity

AFP µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	LIA/Dxl 800 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411 CMIA/Architect i1000 ECLIA/Cobas e 601 LIA/Atellica Solution CMIA/Architect i2000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 LOCI/Dimension VISTA CMIA/Alinity

CYFRA (21-1) µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA	Methode	CMIA/Alinity CMIA/Architect i2000
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411

hCGβ mIU/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA	Methode	LIA/Dxl 800 CMIA/Architect i2000 CMIA stat/Architect i2000 CMIA stat/Architect i1000 CMIA/Alinity
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 LOCI/Dimension VISTA
3	LIA/Atellica Solution	Methode	LIA/Atellica Solution
4	LOCI/Dimension EXL	Methode	LOCI/Dimension EXL

NSE µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA/Modular ECLIA-2010 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Cobas 8000
2	LIA/Liaison XL	Methode	LIA/Liaison XL

S - 100 µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA-2010
2	LIA/Liaison XL	Methode	LIA/Liaison XL

SCC ng/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA	Methode	CMIA/Alinity CMIA/Architect i2000
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA/Cobas 8000-e801

CA 125 U/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA	Methode	CMIA/Alinity CMIA/Architect i1000 LIA/Atellica Solution CMIA/Architect i2000
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA-2010
3	LIA/Dxl 800	Methode	LIA/Dxl 800
4	LOCI/Dimension VISTA	Methode	LOCI/Dimension VISTA

CA 15-3 U/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA+LIA	Methode	LIA/Centaur XP LIA/Dxl 800 LIA/Atellica Solution CMIA/Architect i2000 CMIA/Architect i1000 CMIA/Alinity
2	ECLIA+LOCI	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas e 411

			ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 LOCI/Dimension VISTA
--	--	--	--

CA 19-9 U/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA	Methode	CMIA/Architect i1000 CMIA/Alinity CMIA/Architect i2000
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411 ECLIA-2010
3	LIA/Atellica Solution	Methode	LIA/Atellica Solution
4	LIA/Dxl 800	Methode	LIA/Dxl 800
5	LOCI/Dimension VISTA	Methode	LOCI/Dimension VISTA

CA 72-4 U/ml

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas e 411 ECLIA/Cobas 8000-e801

PSA µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA+LOCI	Methode	CMIA/Architect i1000 CMIA/Architect i2000 CMIA/Alinity LOCI/Dimension EXL LOCI/Dimension VISTA
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411
3	LIA	Methode	LIA/Centaur XP LIA/Atellica Solution LIA/Dxl 800

PSA frei µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA+LOCI	Methode	CMIA/Architect i1000 CMIA/Architect i2000 CMIA/Alinity LOCI/Dimension EXL LOCI/Dimension VISTA
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000

			ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411
3	LIA	Methode	LIA/Centaur XP LIA/Atellica Solution LIA/Dxl 800

Quotient freies PSA/gesamt PSA %

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ChLIA+LOCI	Methode	CMIA/Architect i1000 CMIA/Architect i2000 CMIA/Alinity LOCI/Dimension EXL LOCI/Dimension VISTA
2	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000-e801 ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411
3	LIA	Methode	LIA/Centaur XP LIA/Atellica Solution LIA/Dxl 800

Thyreoglobulin µg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ECLIA	Methode	ECLIA/Cobas e 601 ECLIA/Cobas 6000 ECLIA/Modular ECLIA/Cobas 8000 ECLIA/Cobas e 411
2	LIA/Immulite 2000	Methode	LIA/Immulite 2000
3	LIA/Immulite 2000 XPI	Methode	LIA/Immulite 2000 XPI
4	LIA/Liaison XL	Methode	LIA/Liaison XL

Mit besten Grüßen

 Dr. Christoph Buchta, MBA
 Technische Leitung

 Univ. Prof. Dr. Andrea Griesmacher
 Versuchsleitung