

Gesamtbericht

36. Durchgang des Rundversuches **Harnchemie quantitativ**

Wien, am 18.11.2020

Sehr geehrte Frau Kollegin, sehr geehrter Herr Kollege,

bei dem 36. Durchgang des Rundversuches Harnchemie quantitativ wurde die Probenverteilung am 27.10.2020 gestartet. Die Rücksendefrist endete am 08.11.2020. Die statistische Berechnung erfolgte am 18.11.2020. Es gab folgende Probenoptionen:

Probenoption	Bezeichnung	Hersteller
A	Liquicheck Urine Chemistry Contr. L2, Microalbumin Control L2	Bio-Rad
B	Liquicheck Urine Chemistry Contr. L1, Microalbumin Control L1	Bio-Rad

Erläuterungen zu den Tabellenspalten

Probe gibt die Probe an, mit der die Analyse durchgeführt worden ist
 AnzE Anzahl der eingegangenen Ergebnisse

Metrische Analyte

Kollektiv gibt an, zu welchem Kollektiv die Auswertung gehört
 * Kollektiv ohne Bewertung (da Anzahl der eingegangenen Teilnehmerergebnisse weniger als 6 oder Anzahl der Teilnehmerergebnisse innerhalb der Akzeptanzgrenzen weniger als 5); die Ausgabe der Ergebnisse dient nur zur Information
 Zielwert zugewiesener Wert des Rundversuches
 zusätzlich zum Zielwert wird das Ermittlungsverfahren angegeben:
 [a] Referenzwert
 [b] Konsenswert der Teilnehmer
 %-Abw Akzeptanzgrenzen in % (Abweichung)
 AGrenzen Akzeptanzgrenzen als Intervall
 Korrekt Anzahl und % - Angabe jener Teilnehmer, wo das Messergebnis innerhalb der Akzeptanzgrenzen liegt
 Außerhalb Anzahl und % - Angabe jener Teilnehmer, wo das Messergebnis außerhalb der Akzeptanzgrenzen liegt
 MW Mittelwert berechnet nach der Methode Q/Hampel
 Median Median
 SD Standardabweichung
 VK % Variationskoeffizient in %

Nominale Analyte

Angabe gibt an, welche Antworten abgegeben wurden
 Bewertung Bewertung der Angabe mit korrekt oder falsch
 zusätzlich zur Bewertung wird das Ermittlungsverfahren angegeben:
 [a] Referenzwert
 [b] Konsenswert der Teilnehmer
 Anteil Anzahl und % der Teilnehmer, die die entsprechende Angabe gemacht haben

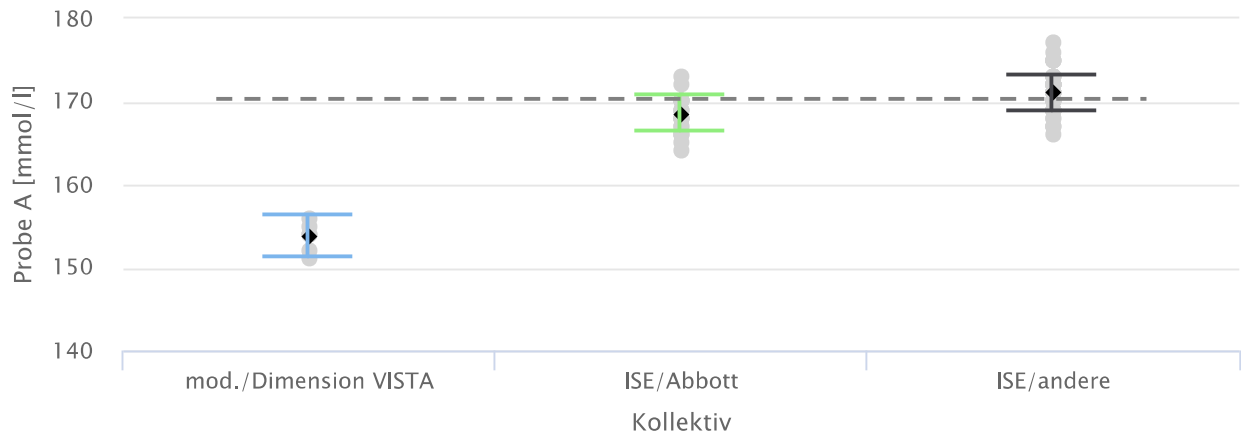
Es wurden folgende Ergebnisse erzielt:

U-Natrium mmol/l

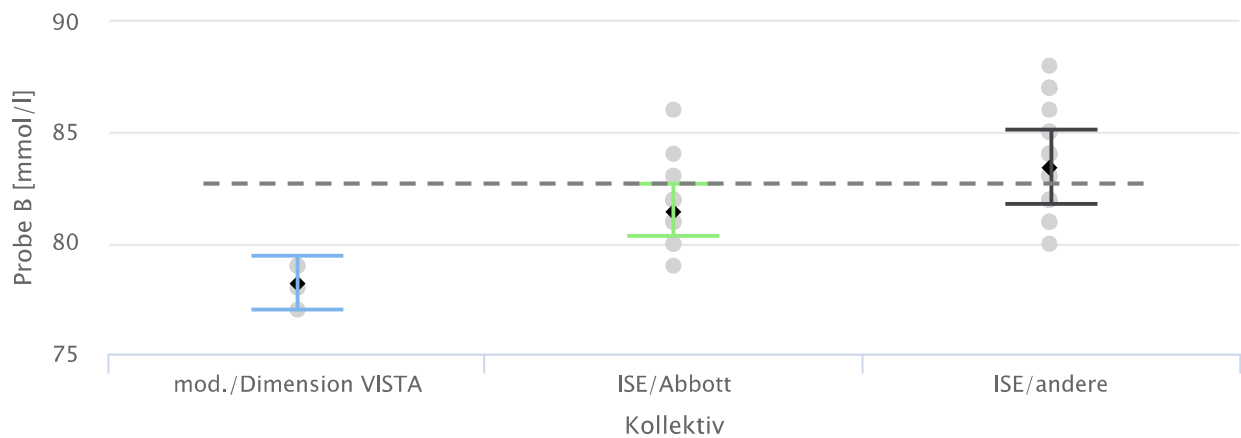
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	93	170 [b]	8	[157...184]	87 (94%)	6 (6%)	170	170	3	1.67
	B	93	83 [b]	8	[76...89]	93 (100%)	0 (0%)	83	83	2	2.53
ISE/Abbott	A	25	169 [b]	8	[155...182]	25 (100%)	0 (0%)	169	169	2	1.29
	B	25	81 [b]	8	[75...88]	25 (100%)	0 (0%)	81	81	1	1.44
ISE/andere	A	62	171 [b]	8	[157...185]	62 (100%)	0 (0%)	171	171	2	1.31
	B	62	83 [b]	8	[77...90]	62 (100%)	0 (0%)	83	83	2	2.00
mod./Dimension VISTA	A	6	154 [b]	8	[141...166]	6 (100%)	0 (0%)	154	154	3	1.64
	B	6	78 [b]	8	[72...84]	6 (100%)	0 (0%)	78	78	1	1.58

S-Kurven aller Proben

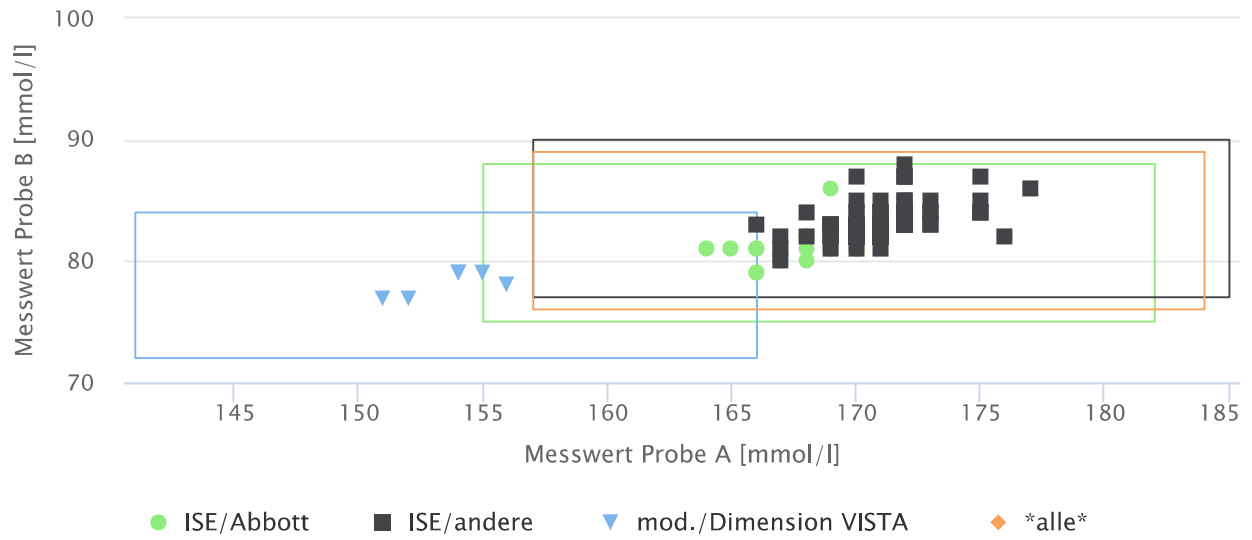


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare



U-Kalium mmol/l

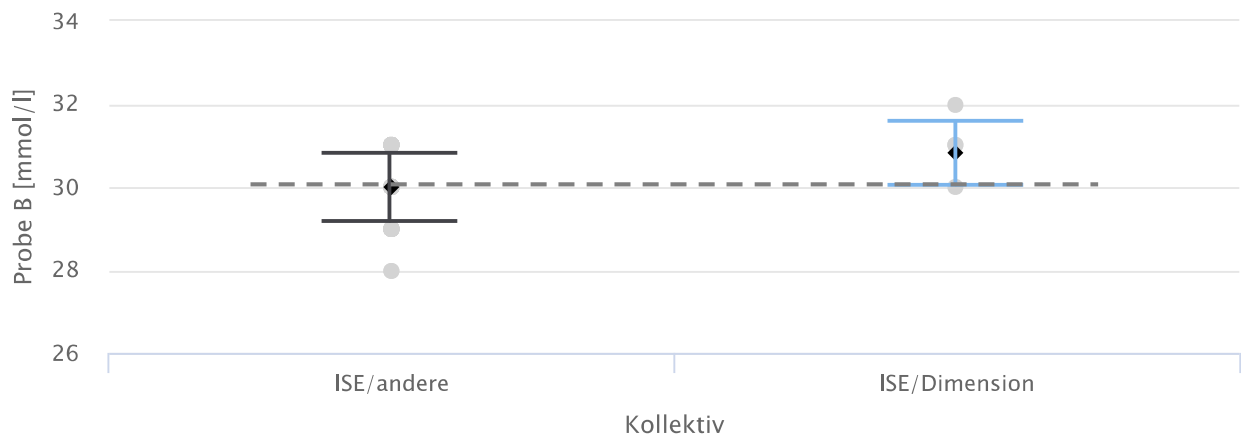
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	93	68 [b]	10	[62...75]	89 (96%)	4 (4%)	68	69	3	3.75
	B	93	30 [b]	10	[27...33]	93 (100%)	0 (0%)	30	30	1	2.82
ISE/Dimension	A	10	75 [b]	10	[67...82]	10 (100%)	0 (0%)	75	74	2	2.64
	B	10	31 [b]	10	[28...34]	10 (100%)	0 (0%)	31	31	1	2.51
ISE/andere	A	83	68 [b]	10	[61...75]	82 (99%)	1 (1%)	68	68	2	3.07
	B	83	30 [b]	10	[27...33]	83 (100%)	0 (0%)	30	30	1	2.73

S-Kurven aller Proben

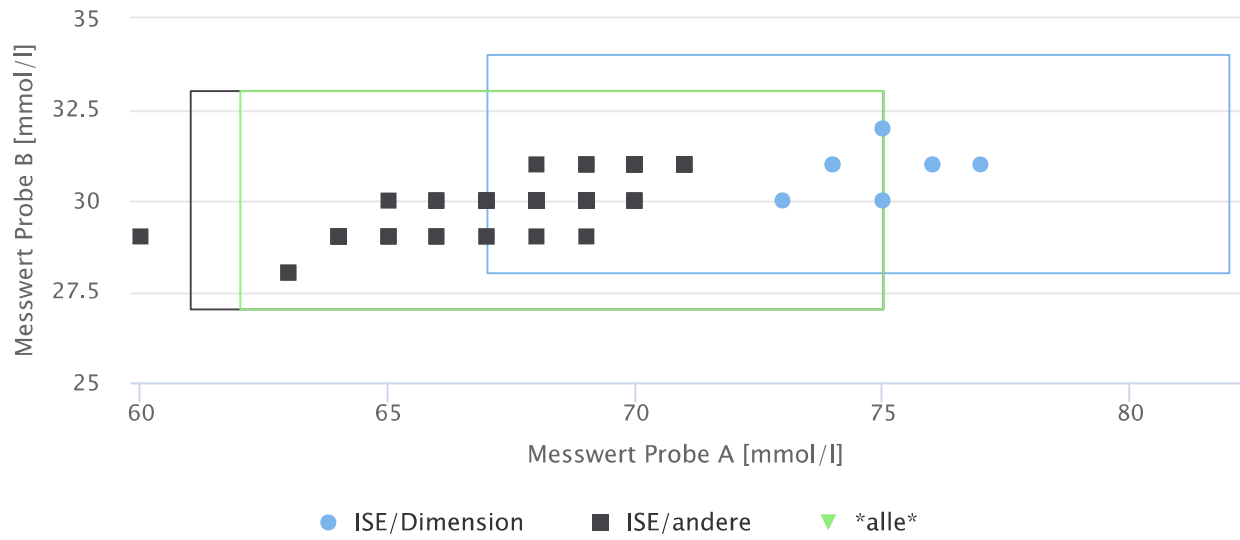


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare

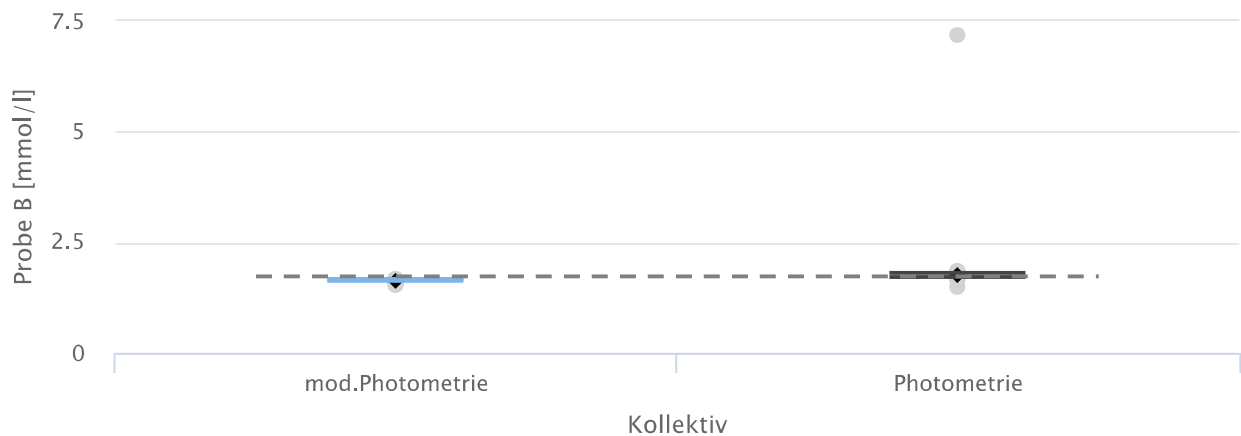
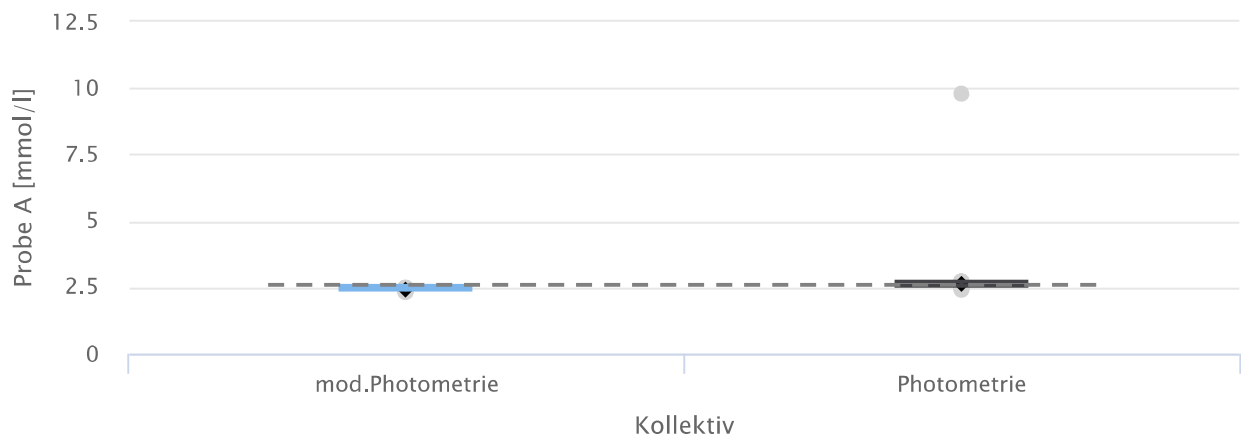


U-Kalzium mmol/l

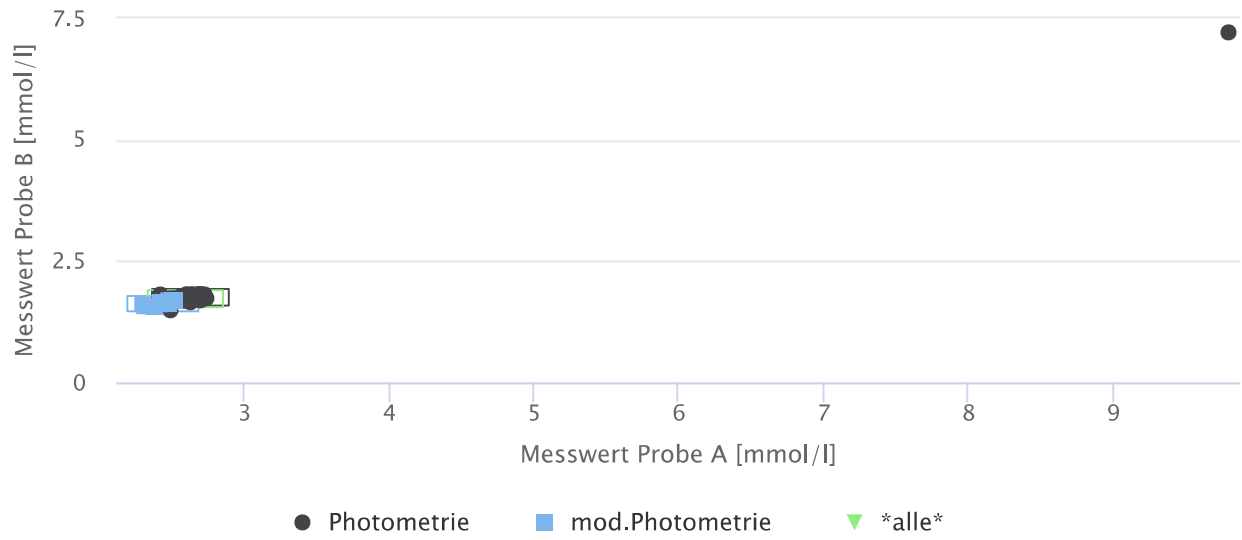
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	90	2.59 [b]	10	[2.33...2.85]	87 (97%)	3 (3%)	2.59	2.60	0.10	3.77
	B	90	1.73 [b]	10	[1.55...1.90]	88 (98%)	2 (2%)	1.73	1.74	0.07	4.11
Photometrie	A	72	2.63 [b]	10	[2.36...2.89]	71 (99%)	1 (1%)	2.63	2.62	0.07	2.49
	B	72	1.75 [b]	10	[1.58...1.93]	70 (97%)	2 (3%)	1.75	1.75	0.05	2.80
mod.Photometrie	A	18	2.44 [b]	10	[2.19...2.68]	18 (100%)	0 (0%)	2.44	2.44	0.06	2.29
	B	18	1.62 [b]	10	[1.46...1.78]	18 (100%)	0 (0%)	1.62	1.62	0.03	1.92

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

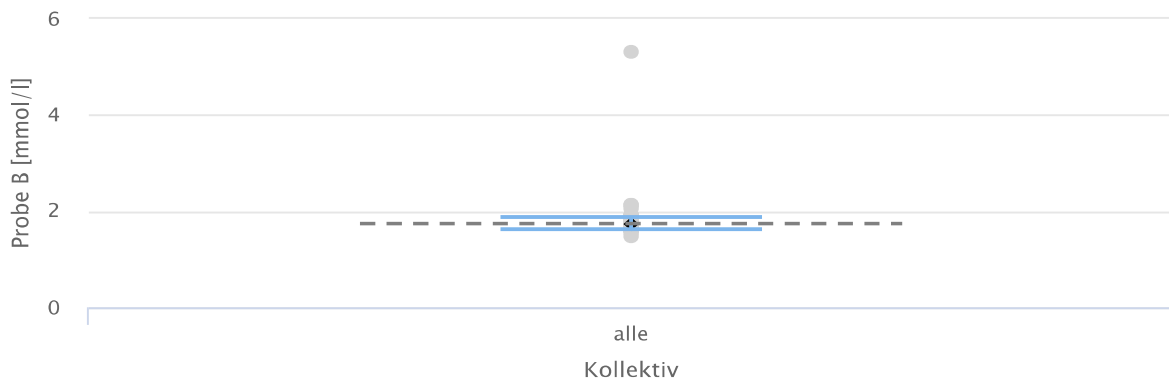
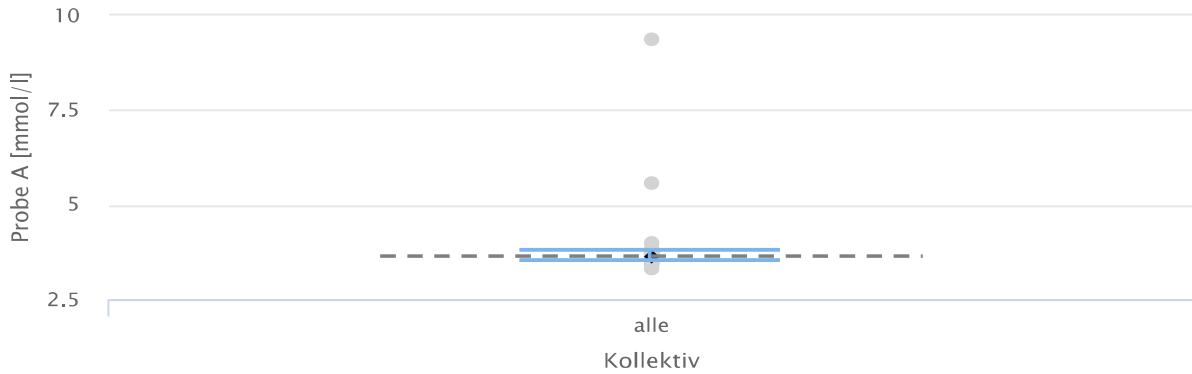


U-Magnesium mmol/l

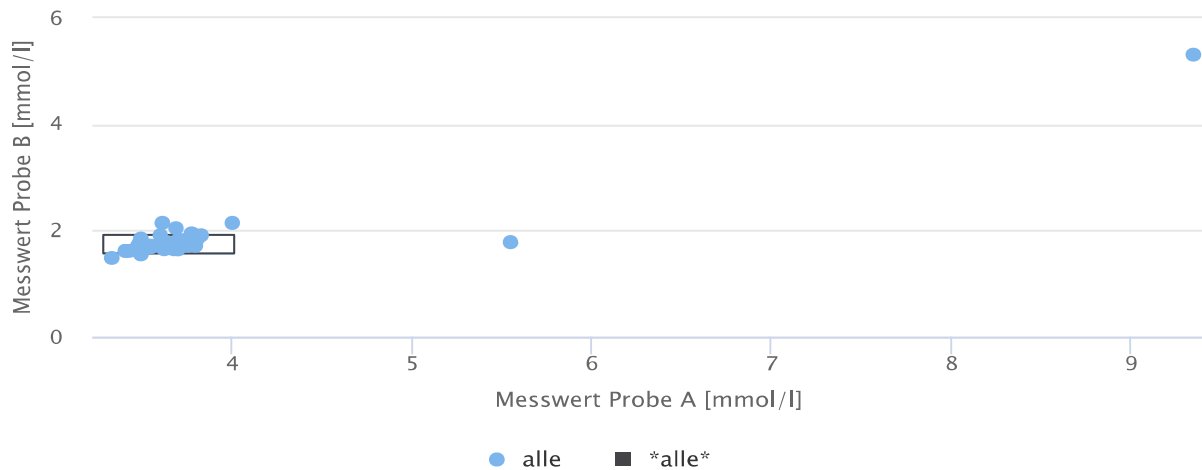
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	48	3.64 [b]	10	[3.28...4.01]	46 (96%)	2 (4%)	3.64	3.67	0.14	3.98
	B	48	1.74 [b]	10	[1.57...1.92]	41 (85%)	7 (15%)	1.74	1.75	0.12	6.75

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

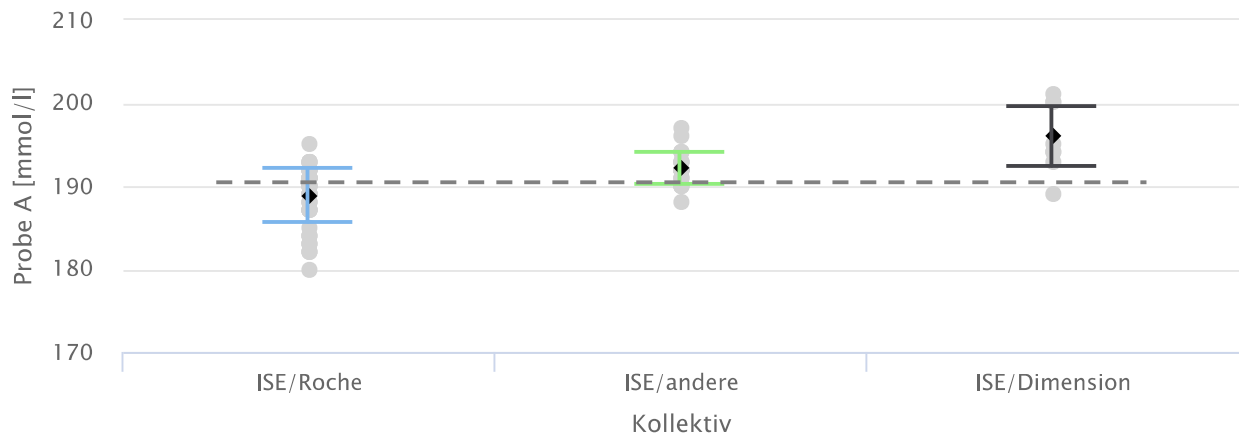


U-Chlorid mmol/l

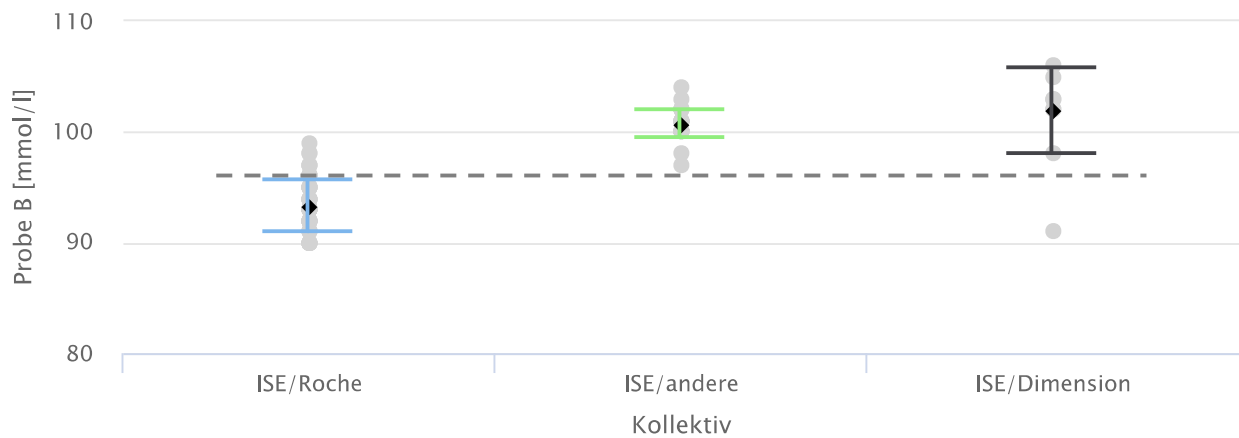
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	90	190 [b]	8	[175...206]	90 (100%)	0 (0%)	190	191	3	1.72
	B	90	96 [b]	8	[88...104]	88 (98%)	2 (2%)	96	95	4	4.41
ISE/Dimension	A	8	196 [b]	8	[180...212]	8 (100%)	0 (0%)	196	194	4	1.85
	B	8	102 [b]	8	[94...110]	7 (88%)	1 (12%)	102	102	4	3.85
ISE/Roche	A	56	189 [b]	8	[174...204]	56 (100%)	0 (0%)	189	189	3	1.72
	B	56	93 [b]	8	[86...101]	56 (100%)	0 (0%)	93	93	2	2.58
ISE/andere	A	26	192 [b]	8	[177...207]	26 (100%)	0 (0%)	192	192	2	0.96
	B	26	101 [b]	8	[93...109]	26 (100%)	0 (0%)	101	100	1	1.29

S-Kurven aller Proben

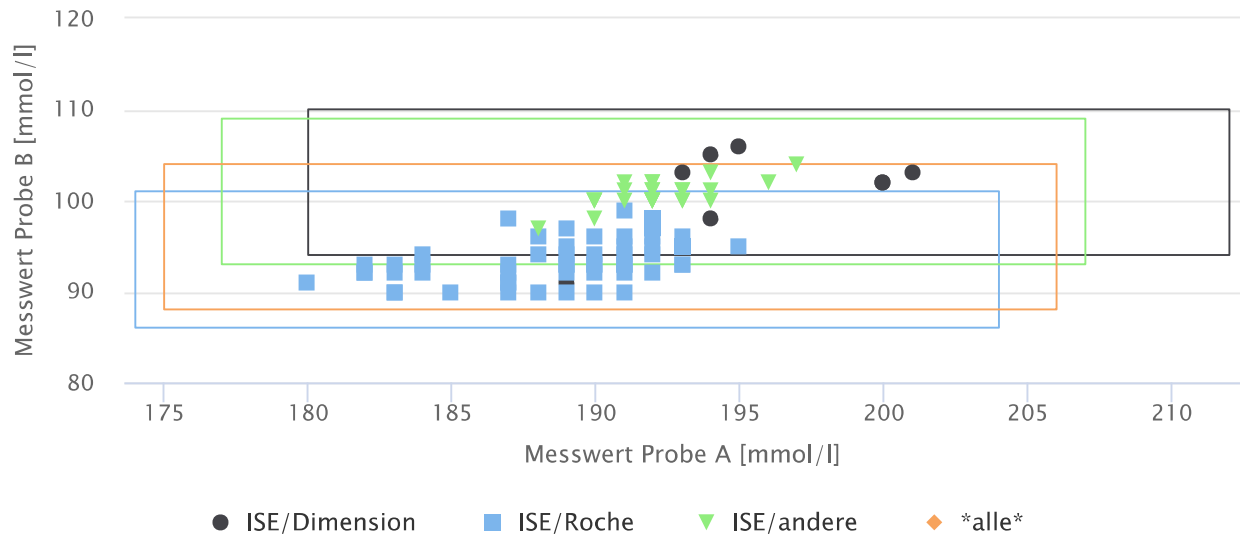


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - · - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - · - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare

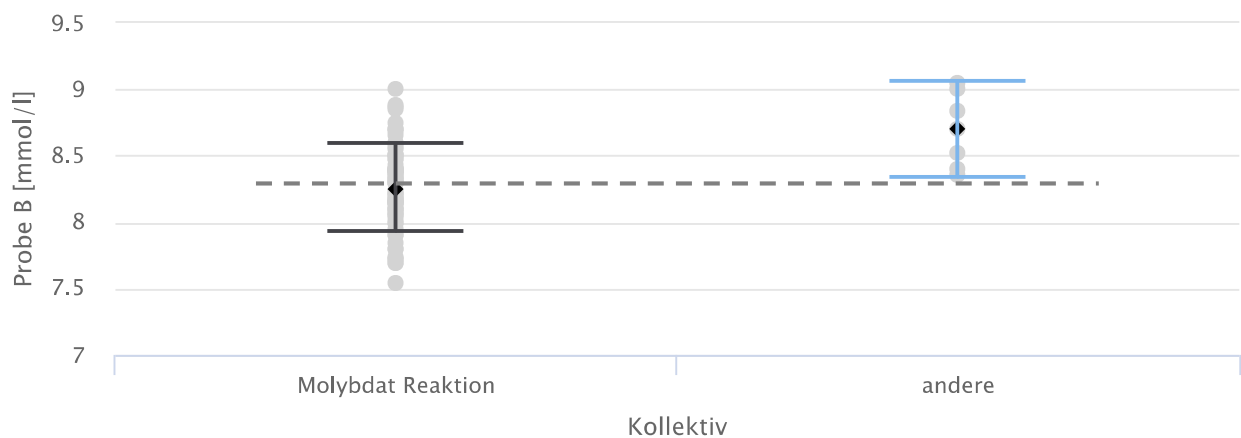


U-Phosphat mmol/l

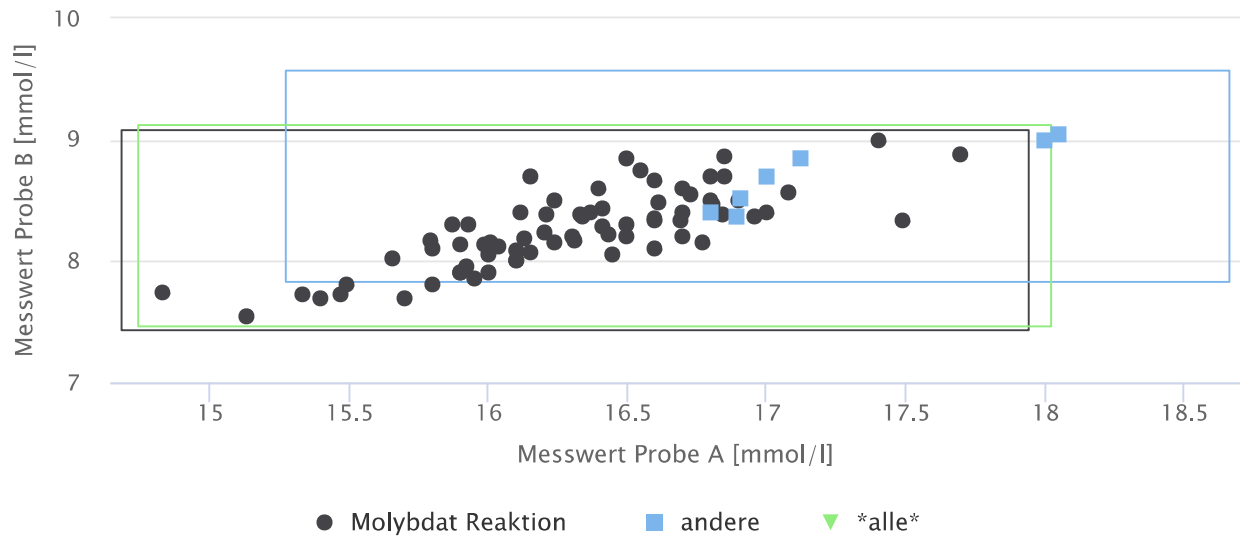
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	79	16.38 [b]	10	[14.74...18.02]	78 (99%)	1 (1%)	16.38	16.40	0.56	3.40
	B	79	8.29 [b]	10	[7.46...9.12]	79 (100%)	0 (0%)	8.29	8.31	0.35	4.22
Molybdat Reaktion	A	72	16.31 [b]	10	[14.68...17.94]	72 (100%)	0 (0%)	16.31	16.32	0.51	3.13
	B	72	8.25 [b]	10	[7.43...9.08]	72 (100%)	0 (0%)	8.25	8.27	0.33	4.04
andere	A	7	16.97 [b]	10	[15.27...18.66]	7 (100%)	0 (0%)	16.97	17.00	0.25	1.46
	B	7	8.70 [b]	10	[7.83...9.57]	7 (100%)	0 (0%)	8.70	8.70	0.36	4.17

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

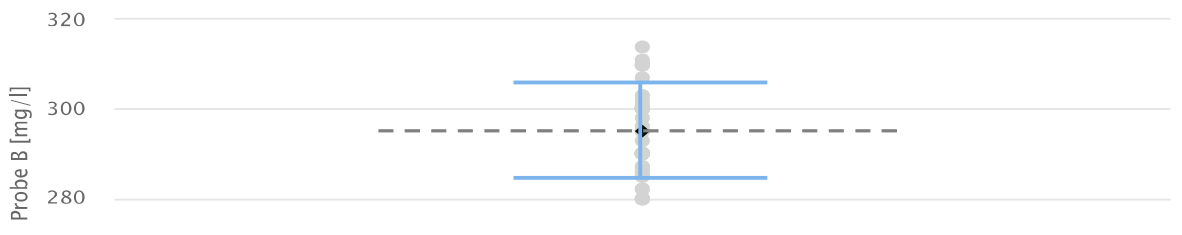
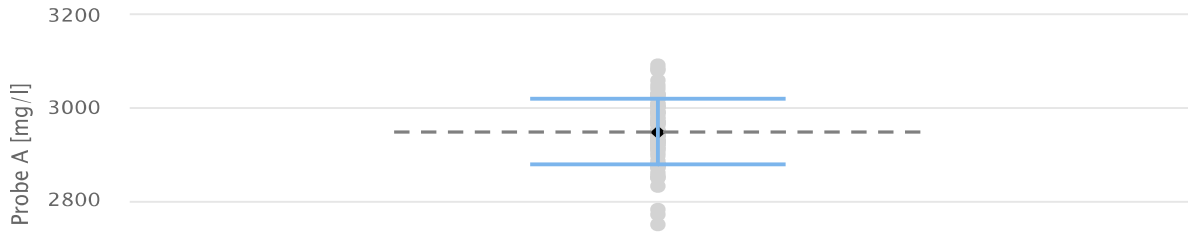


U-Glukose mg/l

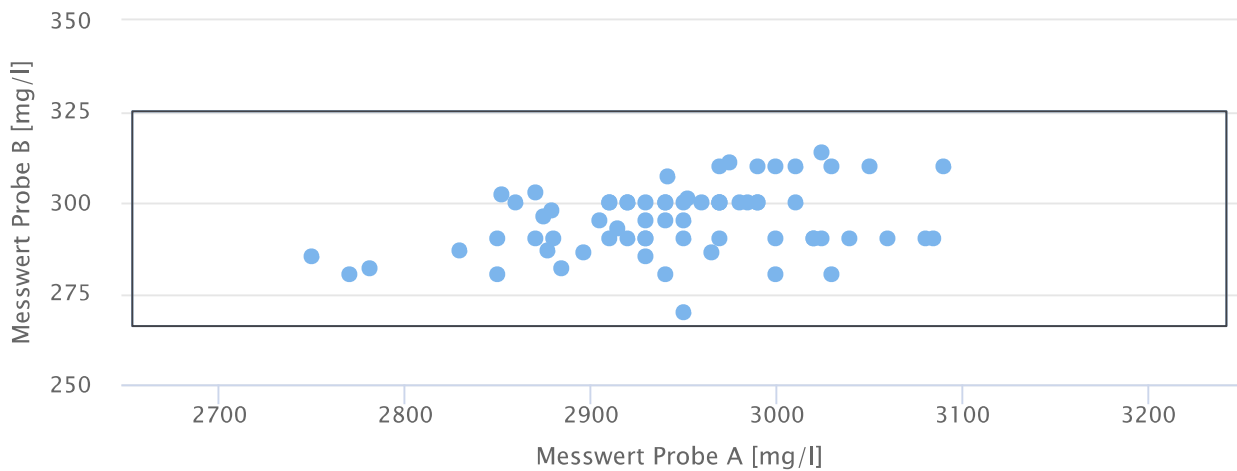
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	69	2948 [b]	10	[2653...3242]	69 (100%)	0 (0%)	2948	2950	72	2.43
	B	69	295 [b]	10	[266...325]	69 (100%)	0 (0%)	295	295	11	3.62

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare



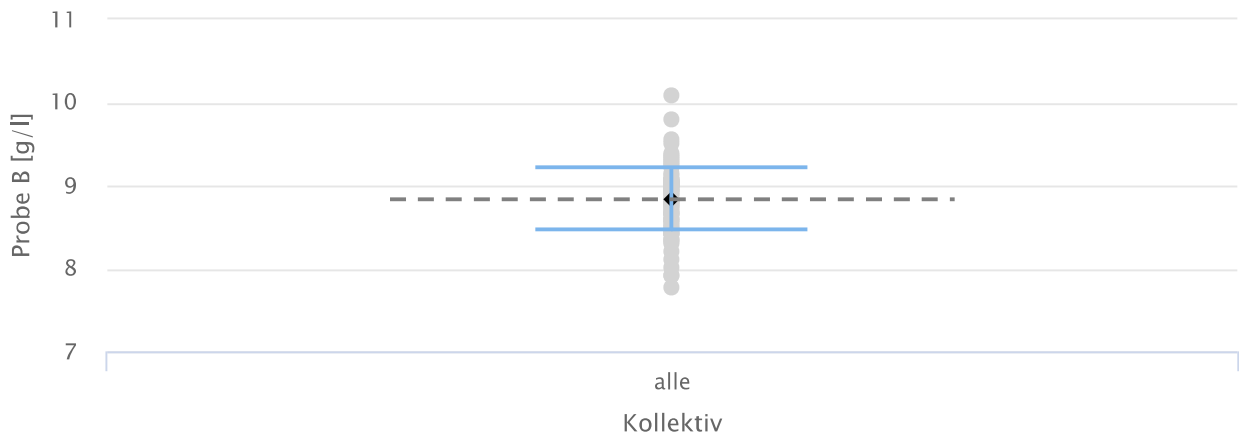
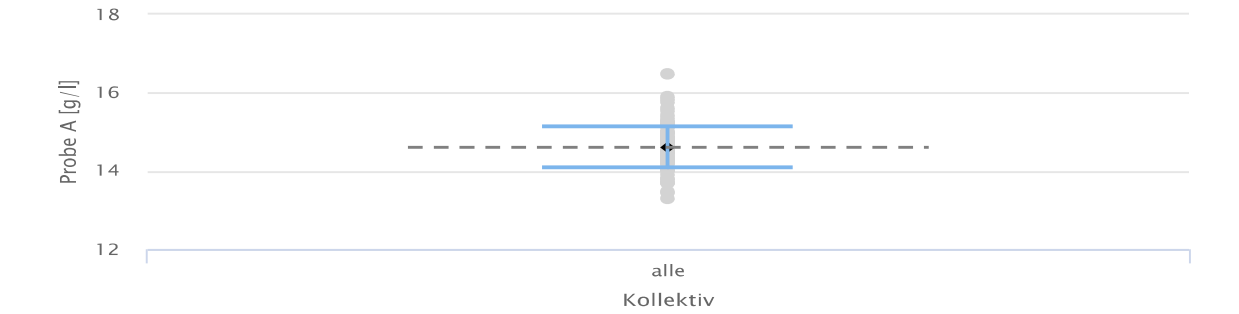
● alle ■ *alle*

U-Harnstoff g/l

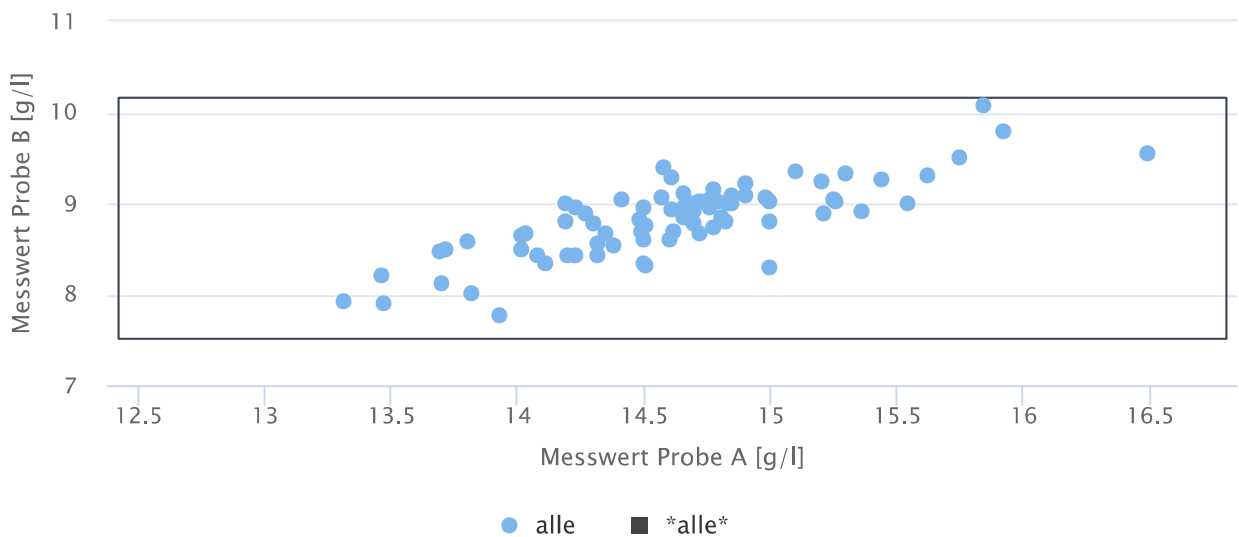
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	78	14.61 [b]	15	[12.42...16.80]	78 (100%)	0 (0%)	14.61	14.63	0.53	3.65
	B	78	8.83 [b]	15	[7.51...10.16]	78 (100%)	0 (0%)	8.83	8.89	0.38	4.33

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

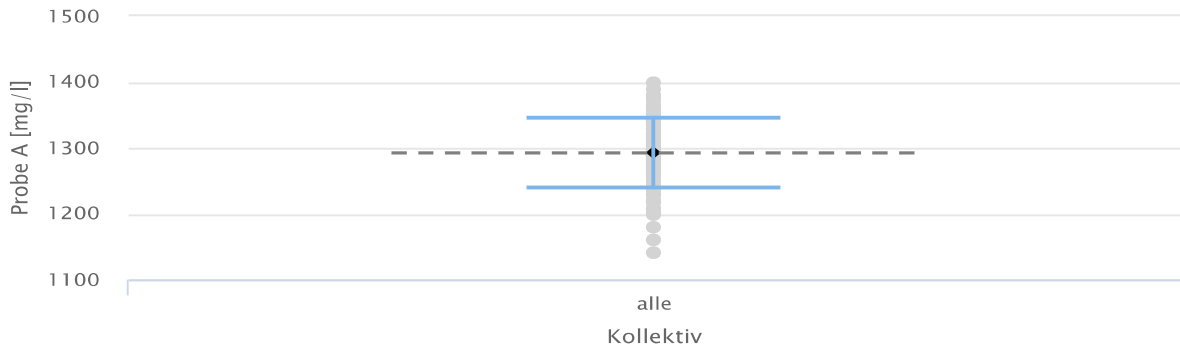


U-Kreatinin mg/l

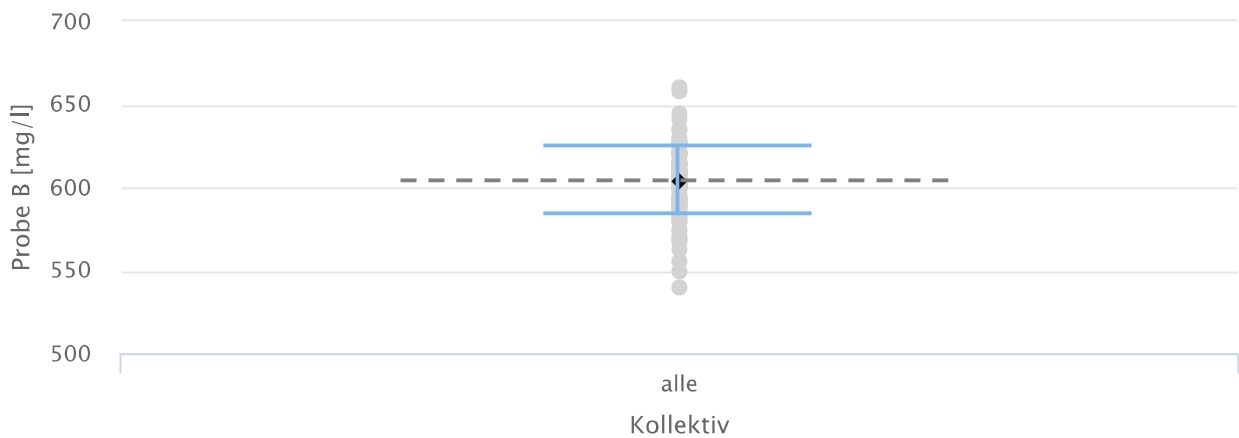
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	98	1292 [b]	15	[1099...1486]	98 (100%)	0 (0%)	1292	1290	53	4.11
	B	98	604 [b]	15	[514...695]	98 (100%)	0 (0%)	604	606	20	3.36

S-Kurven aller Proben

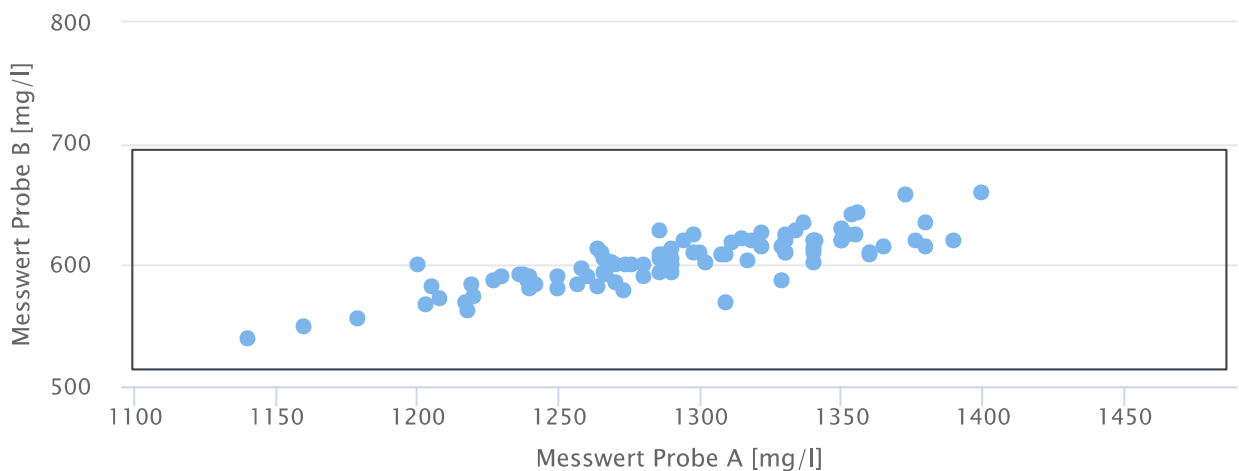


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare



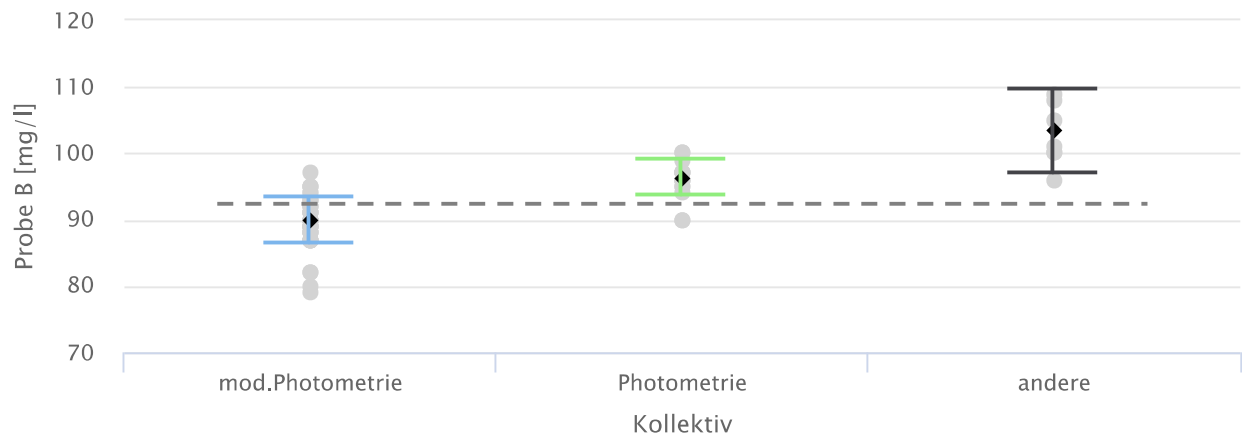
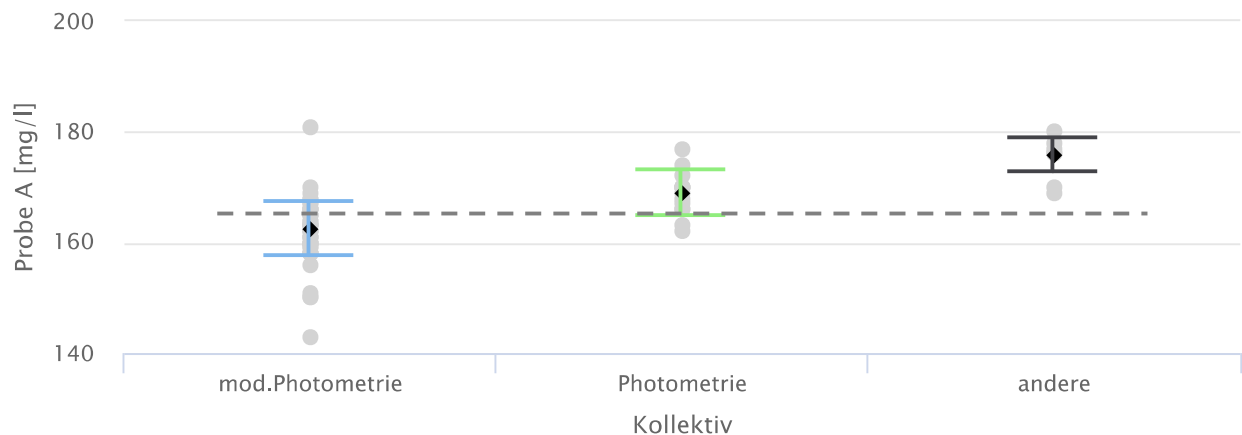
● alle ■ *alle*

U-Harnsäure mg/l

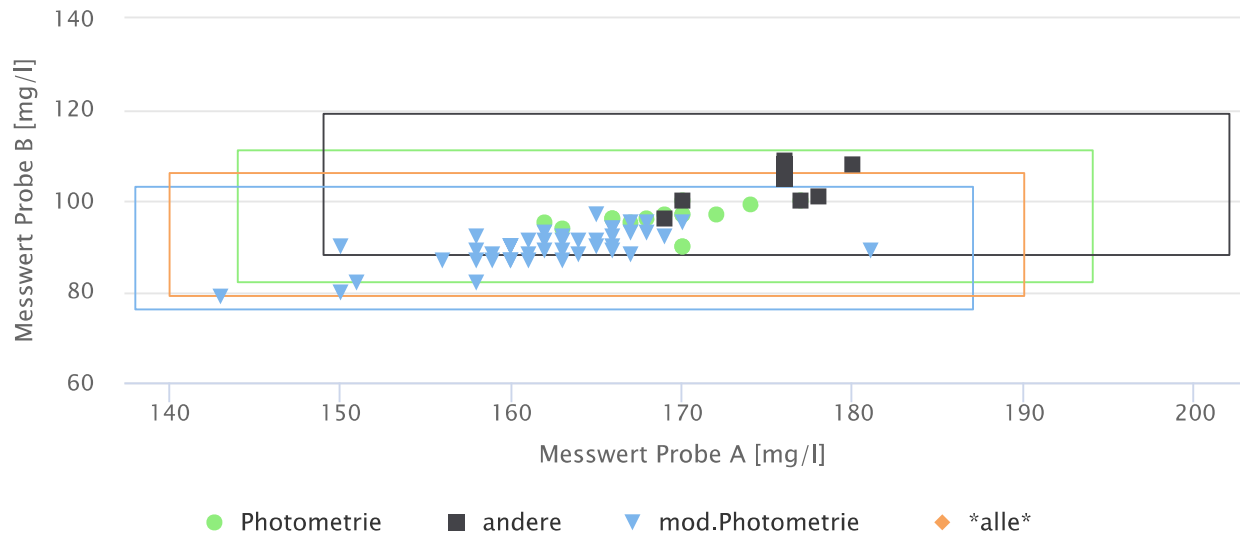
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	68	165 [b]	15	[140...190]	68 (100%)	0 (0%)	165	166	7	4.01
	B	68	92 [b]	15	[79...106]	65 (96%)	3 (4%)	92	92	5	5.78
Photometrie	A	15	169 [b]	15	[144...194]	15 (100%)	0 (0%)	169	170	4	2.49
	B	15	96 [b]	15	[82...111]	15 (100%)	0 (0%)	96	96	3	2.81
andere	A	8	176 [b]	15	[149...202]	8 (100%)	0 (0%)	176	176	3	1.73
	B	8	103 [b]	15	[88...119]	8 (100%)	0 (0%)	103	103	6	6.14
mod.Photometrie	A	45	162 [b]	15	[138...187]	45 (100%)	0 (0%)	162	162	5	3.02
	B	45	90 [b]	15	[76...103]	45 (100%)	0 (0%)	90	90	3	3.76

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

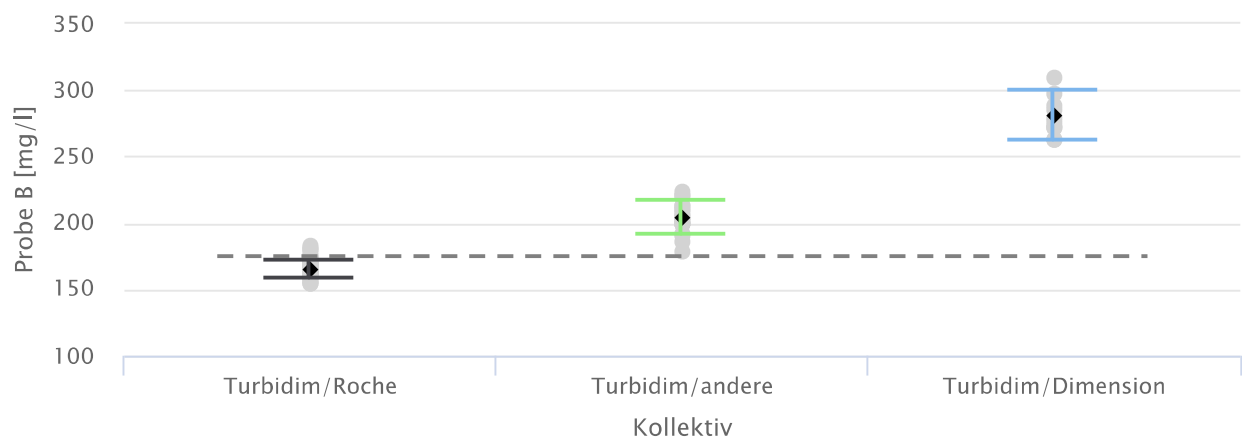
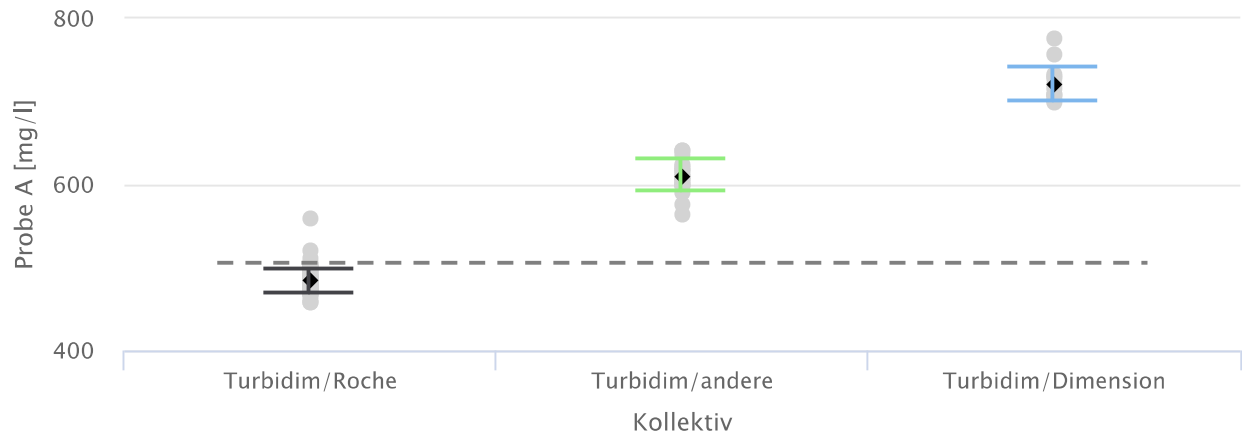


U-Ges. Protein mg/l

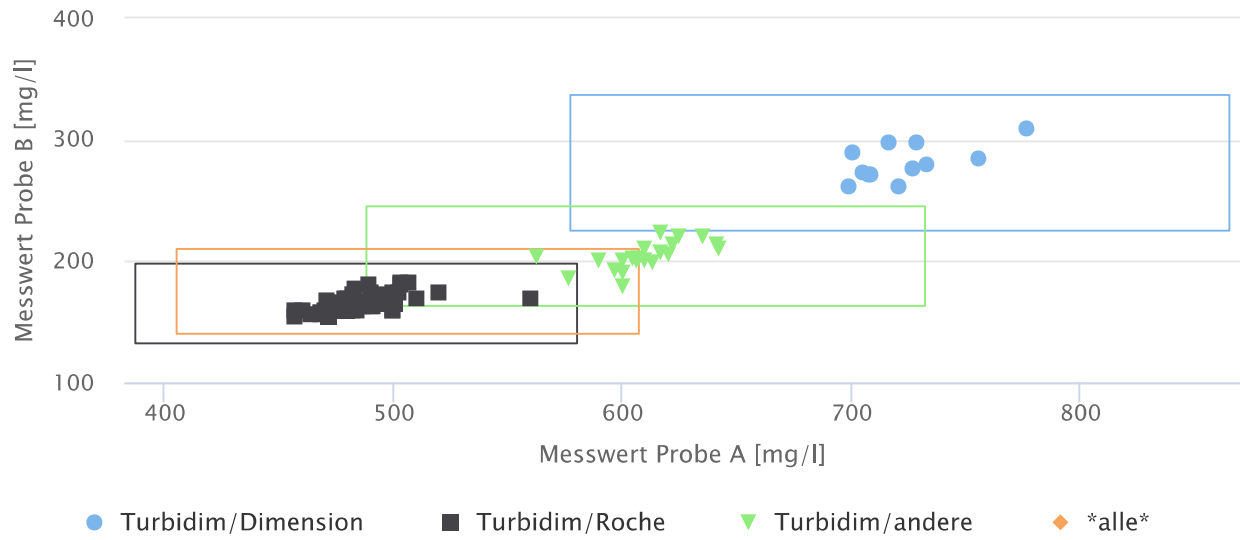
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	86	506 [b]	20	[405...607]	63 (73%)	23 (27%)	506	500	37	7.32
	B	86	175 [b]	20	[140...210]	69 (80%)	17 (20%)	175	173	19	10.76
Turbidim/Dimension	A	12	721 [b]	20	[577...865]	12 (100%)	0 (0%)	721	718	20	2.77
	B	12	281 [b]	20	[225...337]	12 (100%)	0 (0%)	281	278	19	6.76
Turbidim/Roche	A	53	484 [b]	20	[387...580]	53 (100%)	0 (0%)	484	482	15	3.04
	B	53	165 [b]	20	[132...198]	53 (100%)	0 (0%)	165	163	6	3.94
Turbidim/andere	A	21	610 [b]	20	[488...732]	21 (100%)	0 (0%)	610	610	19	3.18
	B	21	204 [b]	20	[163...245]	21 (100%)	0 (0%)	204	203	13	6.13

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

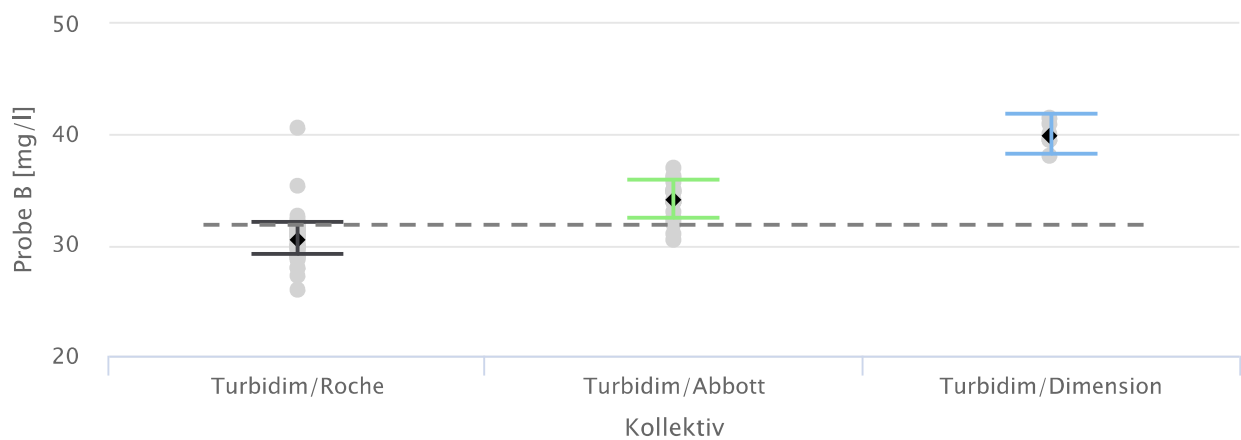
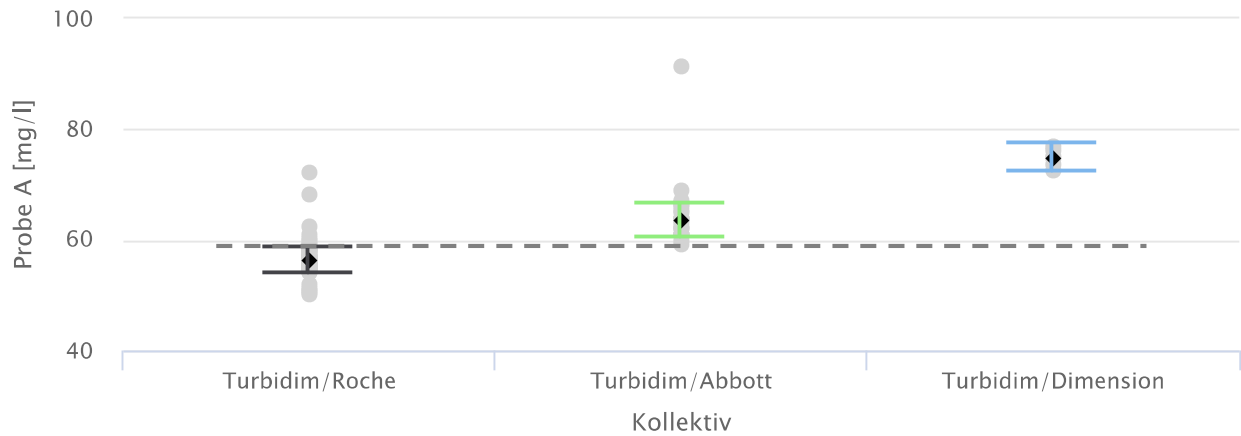


U-Albumin mg/l

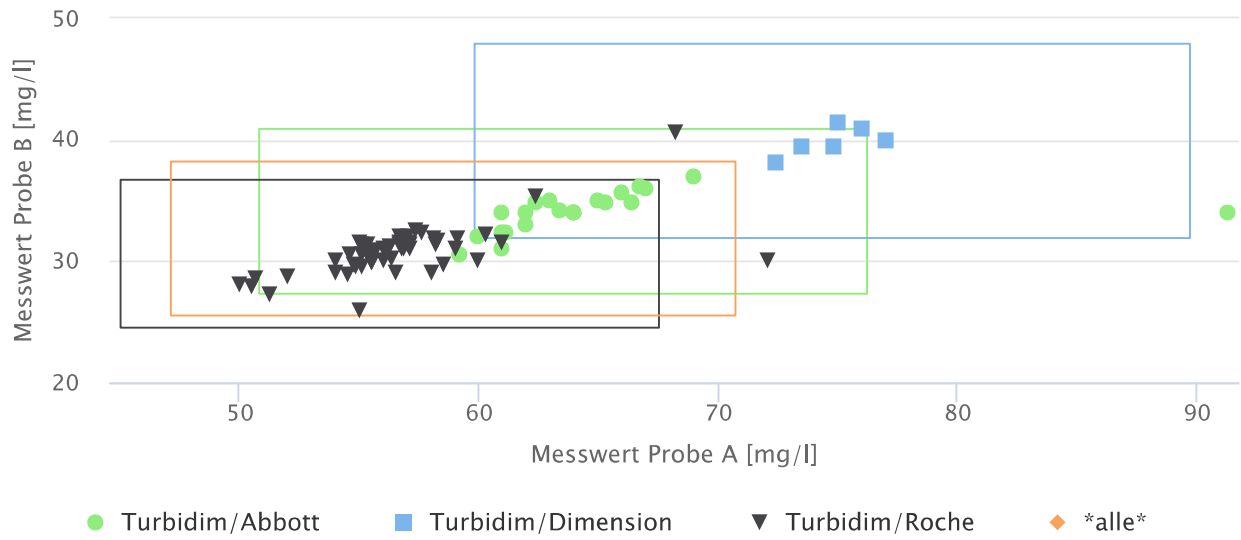
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	83	58.9 [b]	20	[47.1...70.7]	75 (90%)	8 (10%)	58.9	58.0	4.6	7.77
	B	83	31.8 [b]	20	[25.5...38.2]	77 (93%)	6 (7%)	31.8	31.4	2.4	7.54
Turbidim/Abbott	A	23	63.5 [b]	20	[50.8...76.2]	22 (96%)	1 (4%)	63.5	64.0	3.2	5.09
	B	23	34.1 [b]	20	[27.3...40.9]	23 (100%)	0 (0%)	34.1	34.0	1.6	4.79
Turbidim/Dimension	A	6	74.8 [b]	20	[59.8...89.7]	6 (100%)	0 (0%)	74.8	74.9	2.5	3.34
	B	6	39.9 [b]	20	[31.9...47.9]	6 (100%)	0 (0%)	39.9	39.8	1.8	4.60
Turbidim/Roche	A	54	56.2 [b]	20	[45.0...67.5]	52 (96%)	2 (4%)	56.2	56.3	2.3	4.02
	B	54	30.6 [b]	20	[24.5...36.7]	53 (98%)	1 (2%)	30.6	30.9	1.4	4.47

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare

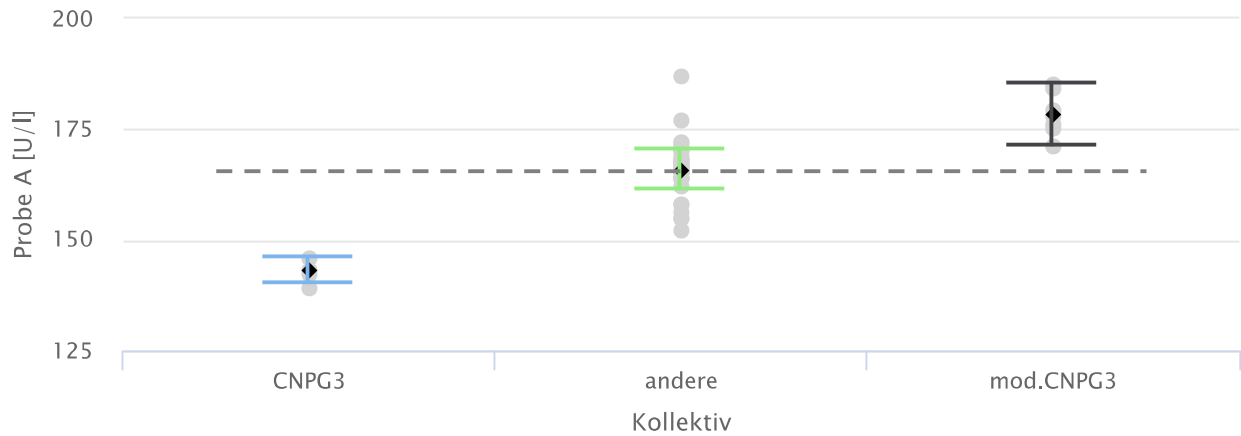


U-Amylase U/I

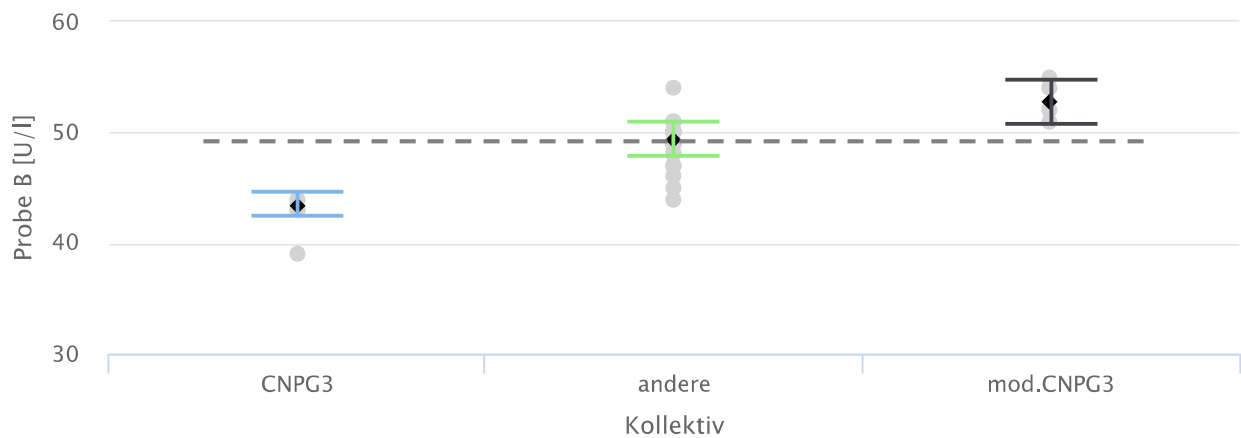
Split: Methode

Kollektiv	Probe	AnzE	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	52	165 [b]	15	[141...190]	51 (98%)	1 (2%)	165	166	8	5.00
	B	52	49 [b]	15	[42...57]	51 (98%)	1 (2%)	49	50	3	5.17
CNP3	A	7	143 [b]	15	[122...165]	7 (100%)	0 (0%)	143	143	3	2.02
	B	7	43 [b]	15	[37...50]	7 (100%)	0 (0%)	43	43	1	2.44
andere	A	38	166 [b]	15	[141...191]	38 (100%)	0 (0%)	166	166	5	2.76
	B	38	49 [b]	15	[42...57]	38 (100%)	0 (0%)	49	50	2	3.10
mod.CNP3	A	7	178 [b]	15	[152...205]	7 (100%)	0 (0%)	178	178	7	3.89
	B	7	53 [b]	15	[45...61]	7 (100%)	0 (0%)	53	52	2	3.76

S-Kurven aller Proben

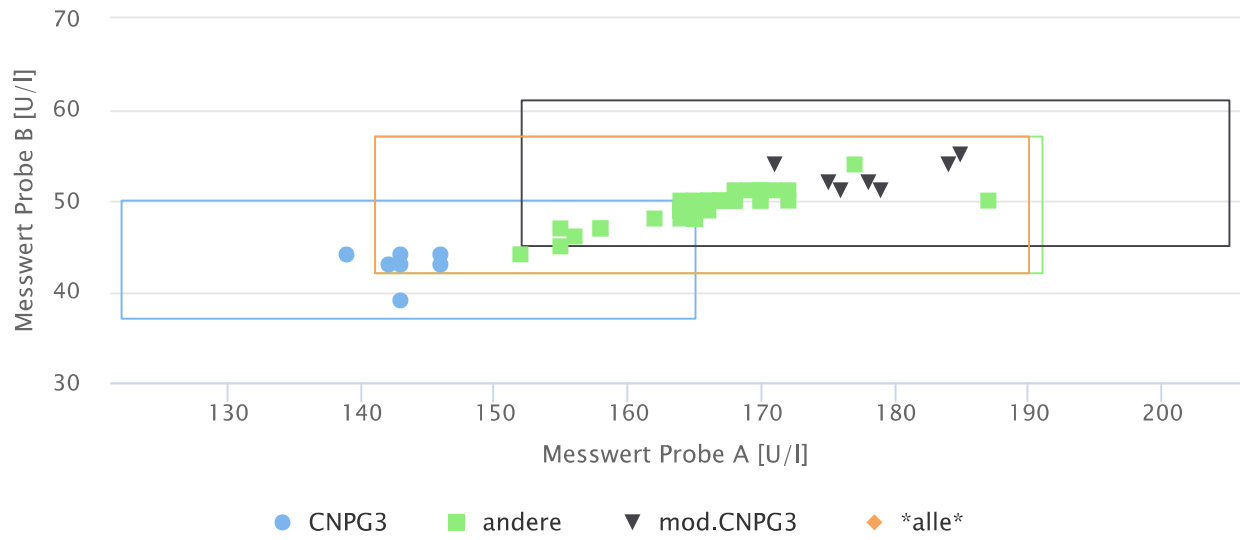


● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)



● Messwert ◆ Mittelwert & Std.-Abw.
 - - Mittelwert nach Q-Hampel aller Kollektive (Methoden)

Youden-Plots aller Probenpaare

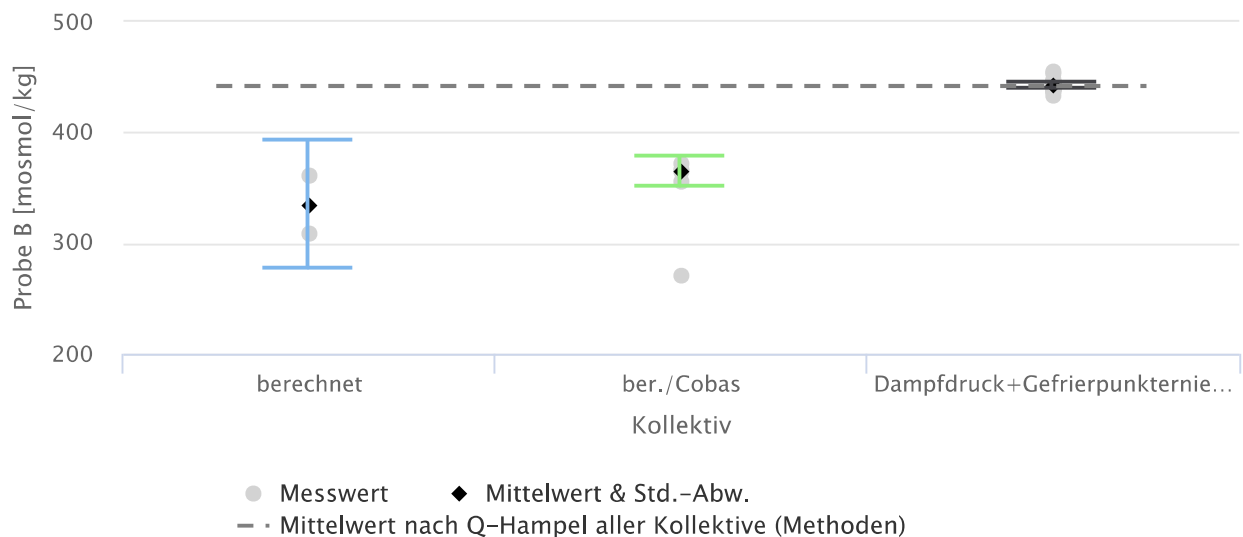
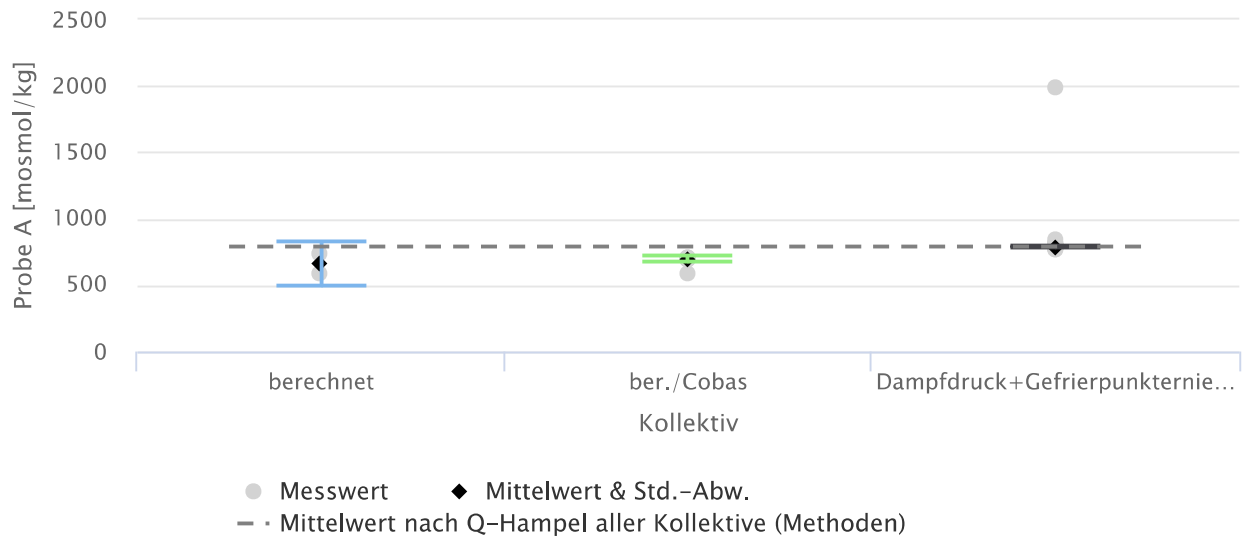


U-Osmolalität mosmol/kg

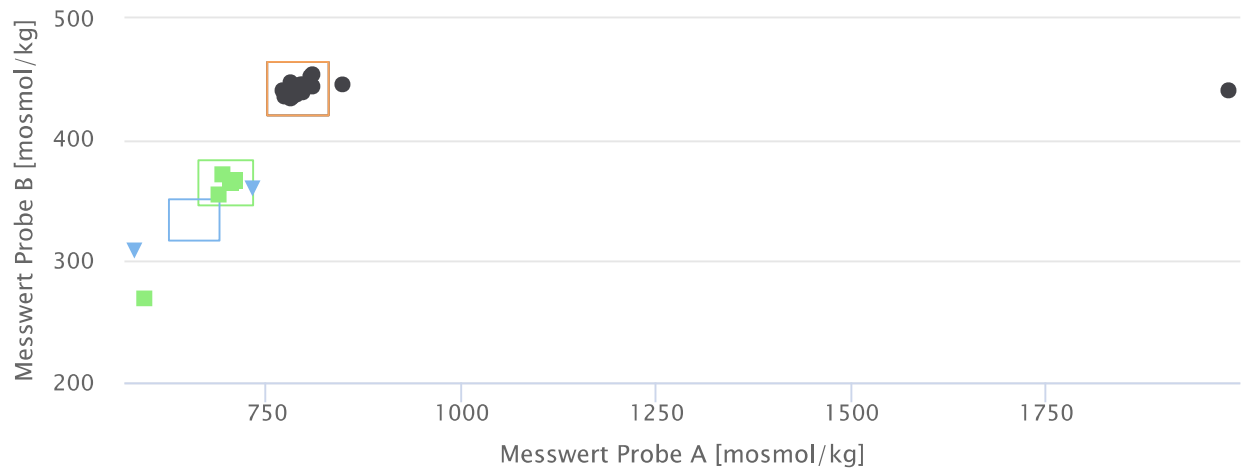
Split: Methode

Kollektiv	Probe	Anz E	Zielwert	%-Abw	AGrenzen	Korrekt	Außerhalb	MW	Median	SD	VK %
alle	A	57	790 [b]	5	[750...829]	48 (84%)	9 (16%)	790	788	10	1.24
	B	57	442 [b]	5	[420...464]	50 (88%)	7 (12%)	442	441	4	0.81
Dampfdruck+Gefrierpunktniedrigung	A	50	789 [b]	5	[750...829]	48 (96%)	2 (4%)	789	789	7	0.92
	B	50	442 [b]	5	[420...464]	50 (100%)	0 (0%)	442	442	3	0.61
ber./Cobas	A	5	697 [b]*	5*	[662...732]*	4 (80%)*	1 (20%)*	697*	693*	24*	3.50*
	B	5	364 [b]*	5*	[346...383]*	4 (80%)*	1 (20%)*	364*	365*	13*	3.65*
berechnet	A	2	656 [b]*	5*	[624...689]*	0 (0%)*	2 (100%)*	656*	656*	168*	25.52*
	B	2	334 [b]*	5*	[317...351]*	0 (0%)*	2 (100%)*	334*	334*	58*	17.27*

S-Kurven aller Proben



Youden-Plots aller Probenpaare



● Dampfdruck+Gefrierpunkterniedrigung ■ ber./Cobas ▼ berechnet ◆ *alle*

Vergleichbarkeitsklassen (Kollektive)

U-Natrium mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ISE/Abbott	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Beckman Coulter mod./Dimension EXL
2	ISE/andere	Methode	mod./Atellica Solution mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311
3	mod./Dimension VISTA	Methode	mod./Dimension VISTA

U-Kalium mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ISE/Dimension	Methode	mod./Atellica Solution mod./Dimension VISTA
2	ISE/andere	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension EXL

U-Kalzium mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Photometrie	Methode	mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA
2	mod.Photometrie	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000

U-Magnesium mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	enz./Alinity mod./Alinity mod./Architect c 8000 mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 6000 2nd Gen mod./Cobas 8000 mod./Cobas 8000 2nd Gen mod./Cobas c 311 mod./Cobas c 311 2nd Gen mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA

U-Chlorid mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	ISE/Dimension	Methode	mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA
2	ISE/Roche	Methode	mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311
3	ISE/andere	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter

U-Phosphat mmol/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Molybdat Reaktion	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension VISTA
2	andere	Methode	mod./Architect c 16000 mod./Atellica Solution mod./Dimension EXL

U-Glukose mg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	mod./ADVIA mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension VISTA

U-Harnstoff g/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA

U-Kreatinin mg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	alle	Methode	enz./Alinity enz./Architect c 4000 enz./Architect c 8000 Jaffe/Alinity Jaffe/Architect c 4000

			Jaffe/Architect c 8000 Jaffe/Architect c 16000 Jaffe/Atellica Solution Jaffe/Beckman Coulter Jaffe/Cobas 6000 Jaffe/Cobas 8000 Jaffe/Dimension EXL Jaffe/Dimension VISTA Jaffe/Integra mod. kin. Jaffe/Beckman Coulter mod./Alinity mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311 mod./Dimension VISTA
--	--	--	---

U-Harnsäure mg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Photometrie	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Atellica Solution
2	andere	Methode	mod./Beckman Coulter mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA
3	mod.Photometrie	Methode	mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311

U-Ges. Protein mg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Turbidim/Dimension	Methode	mod./Atellica Solution mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA
2	Turbidim/Roche	Methode	mod./Cobas c 311 Turb./Cobas 6000 Turb./Cobas 8000 Turb./Integra
3	Turbidim/andere	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 Turb./Beckman Coulter

U-Albumin mg/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Turbidim/Abbott	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 4000 mod./Architect c 8000 mod./Dimension EXL Neph./BNA II Neph./Prospec Turb./Alinity
2	Turbidim/Dimension	Methode	mod./Dim. VISTA korr. mod./Dimension VISTA

3	Turbidim/Roche	Methode	mod./Atellica Solution mod./Cobas c 311 Turb./Beckman Coulter Turb./Cobas 6000 Turb./Cobas 6000 2nd Gen Turb./Cobas 8000 Turb./Cobas 8000 2nd Gen Turb./Integra
---	----------------	---------	--

U-Amylase U/l

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	CNPG3	Methode	mod./Dimension EXL mod./Dimension VISTA
2	andere	Methode	mod./Alinity mod./Architect c 16000 mod./Architect c 8000 mod./Cobas 6000 mod./Cobas 8000 mod./Cobas c 311
3	mod.CNPG3	Methode	mod./ADVIA mod./Atellica Solution mod./Beckman Coulter

U-Osmolalität mosmol/kg

Nummer	Kollektiv	Attribut	Ausprägung
1	Dampfdruck+Gefrierpunkterniedrigung	Methode	Dampfdruck Gefrierpunkterniedrigung
2	ber./Cobas	Methode	ber./Cobas c xxx ber./Cobas xxx
3	berechnet	Methode	berechnet

Mit besten Grüßen

Dr. Christoph Buchta, MBA
Technische Leitung

Prim. Dr. Harald Rubey
Versuchsleitung